



فصلنامه علمی-تخصصی دانشجویی بیوتکنولوژی دانشگاه الزهراء (س)

شماره ۳۹_ زمستان ۱۴۰۰

آنچه در این شماره می خوانیم:

خودکشی سلول های سرطانی با سلاح ویروسی

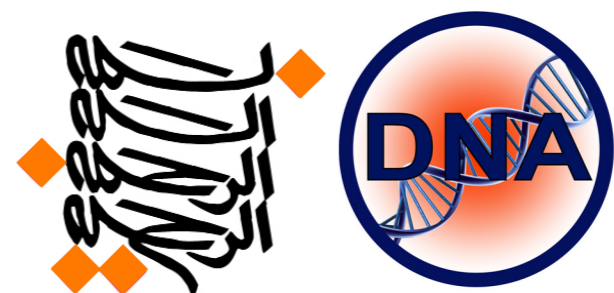
واکسن mRNA ایرانی علیه کووید - ۱۹

اسرار پنهان پالم

جدال نانوبیوتکنولوژی و مقاومت آنتی بیوتیکی

آیا سرطان به پایان راه رسیده است؟

The Use Of Genome Editing Tools In the treatment of Cardiovascular Diseases



فصلنامه علمی - تخصصی دانشجویی
بیوتکنولوژی دانشگاه الزهراء(س)

فصلنامه زمستان ۱۴۰۰ - شماره ۳۹ - سال شانزدهم

صاحب امتیاز: انجمن علمی دانشجویی بیوتکنولوژی
دانشگاه الزهراء(س)

مدیر مسئول: دکتر فاطمه خانی جوی آباد

سر دبیر: بهار مانی

هیئت تحریریه: مهدیه سپهری، سپیده فرجی،
سارا عسکری، یگانه مرادی، بنیامین بابایی،
مریم دلدار بیات

ویراستاری: فاطمه دهقان، مهسا نصیری، بهار مانی

صفحه آرا و طراح جلد: بیتا سعادتیان مقدم

استاد مشاور: دکتر سید ابوالقاسم قدمی

چاپ: دانشگاه الزهراء(س)

نشانی: تهران، ونک، دانشگاه الزهراء(س)، ساختمان
معاونت فرهنگی و اجتماعی دانشگاه الزهراء(س)

رایانامه: DNAmagazine98@gmail.com

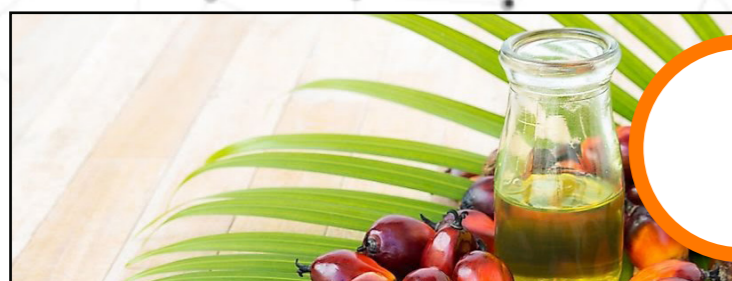
سخن سردبیر

در عصر کنونی که بشر با یکی از بزرگ‌ترین بحران‌های سلامتی مواجه شده است، به‌وضوح نیاز به استفاده از تکنولوژی‌های نوین برای درمان و مقابله با بیماری‌ها و دیگر مسائل زیستی مشخص می‌گردد.

به‌منظور آشنایی بیشتر با این تکنولوژی‌ها تلاش کردیم روش‌های نوین درمان و مقابله با اولین و دومین عامل اصلی مرگ‌ومیر در سراسر جهان؛ یعنی بیماری‌های قلبی عروقی و سرطان را بررسی کنیم؛ همچنین کاربرد یکی از فناوری‌های نوین برای مقابله با تهدید بزرگ جهانی که همان مسئله مقاوم شدن باکتری‌ها در برابر آنتی‌بیوتیک‌های موجود است را مورد تفحص قرار دادیم. مهم‌تر آنکه از تکنولوژی نوین واکسن mRNA علیه کووید-۱۹ که دستاورد مطالعات محققان کشور عزیزمان است سخن به میان آوردیم.

امید است با انتشار این شماره از نشریه DNA خدمت شما همراهان گرامی، توانسته باشیم در معرفی کاربرد علوم نوین و به‌کارگیری آن‌ها در آینده نزدیک گام کوچکی برای گذر از بحران‌های امروز بشر برداشته باشیم.

بهار مانی
اسفندماه ۱۴۰۰



اسرار پنهان پالم

۱۸



جدال نانوبیوتکنولوژی و
مقاومت آنتی بیوتیکی

۲۲



خودکشی سلول های سرطانی
با سلاح ویروسی

۶



واکسن mRNA ایرانی علیه
کووید-۱۹

۱۲



آیا سرطان به پایان راه
رسیده است؟

۲۷



The Use Of Genome Editing
Tools In the treatment of
Cardiovascular Diseases

۳۱

خودکشی سلول‌های سرطانی

اسلح و پروسی

مهديه سپهری

دانشجوی کارشناسی بیوتکنولوژی دانشگاه الزهرا تهران

در سراسر جهان بیش از ۲۰۰ نوع متفاوت از بیماری سرطان وجود دارد که هر کدام به شیوه‌های خاص ایجاد می‌شوند (۱). طیف گسترده‌ای از عوامل نیز وجود دارند که خطر ابتلا به سرطان‌ها را افزایش می‌دهند. علی‌رغم پیشرفت‌های چشمگیر اخیر در زمینه پیشگیری و درمان سرطان و درک بالای مردم جهان از این بیماری و دفع تهدیدهای سلامتی، همچنان سرطان دومین عامل مرگ‌ومیر انسان در سراسر دنیاست. سرطان به‌علت انباشته‌شدن جهش‌های ژنتیکی و اختلالات اپی‌ژنتیکی به وجود می‌آید که در نهایت باعث رشد کنترل‌ناپذیر سلول می‌شود. سلول‌های سرطانی به‌صورت ذاتی به مرگ برنامه‌ریزی‌شده سلولی و عوامل دفاعی مهارکننده رشد، مقاوم هستند. در مراحل نهایی بیماری، سلول‌های سرطانی از مکان اولیه خود حرکت کرده و در نقاط مختلف بدن لانه‌گزینی می‌کنند که متاستاز نامیده می‌شود. این پدیده درمان سرطان را مشکل می‌سازد.

تشخیص سرطان در مراحل اولیه یک کار بسیار دشوار است که نقش بسزایی در درمان آن دارد و از پیشرفت بیشتر و متاستاز سرطان جلوگیری می‌کند. هر یک رده سلولی سرطانی دارای نشانگر زیستی بین سلولی و خارج سلولی خاصی است که اغلب از جنس پروتئین است. نشانگرهای زیستی در تشخیص سرطان در مراحل اولیه نقش اصلی را به عهده دارند و باعث تمایز سلول‌های سرطانی از سلول‌های نرمال می‌شوند. با وجود انواع روش‌های تحلیلی مرسوم؛ مانند واکنش زنجیره‌ای

پلیمرز (PCR)، ایمونوهیستوشیمی و فلوسیتومتری آن‌ها همچنان از حساسیت درخور توجهی برخوردار نیستند و به تجهیزات پرهزینه و زمانی طولانی نیاز دارند تا به نتیجه مطلوب برسند. ظهور فناوری حسگرهای زیستی و استفاده از آن‌ها امکان تشخیص زودهنگام و درمان مؤثرتر را با حساسیت زیاد و هزینه کم فراهم کرده است؛ به‌خصوص درباره سرطان‌هایی که در مراحل انتهایی تشخیص داده می‌شوند یا به درمان پاسخ ضعیفی می‌دهند. درمان مرحله بعدی تشخیص است. درمان سرطان علی‌رغم پیشرفت‌های موجود به‌عنوان یک چالش بزرگ برای بشر مطرح است. امروزه انواع روش‌های بیوتکنولوژی رو به پیشرفت است و امیدهای جدیدی در درمان هدفمند^۱ و زودهنگام سرطان ایجاد کرده است (۲).



شکل ۱. انواع روش‌های درمانی سرطان (منبع: سایت مرکز پزشکی متودیست هوستون)

ژن درمانی

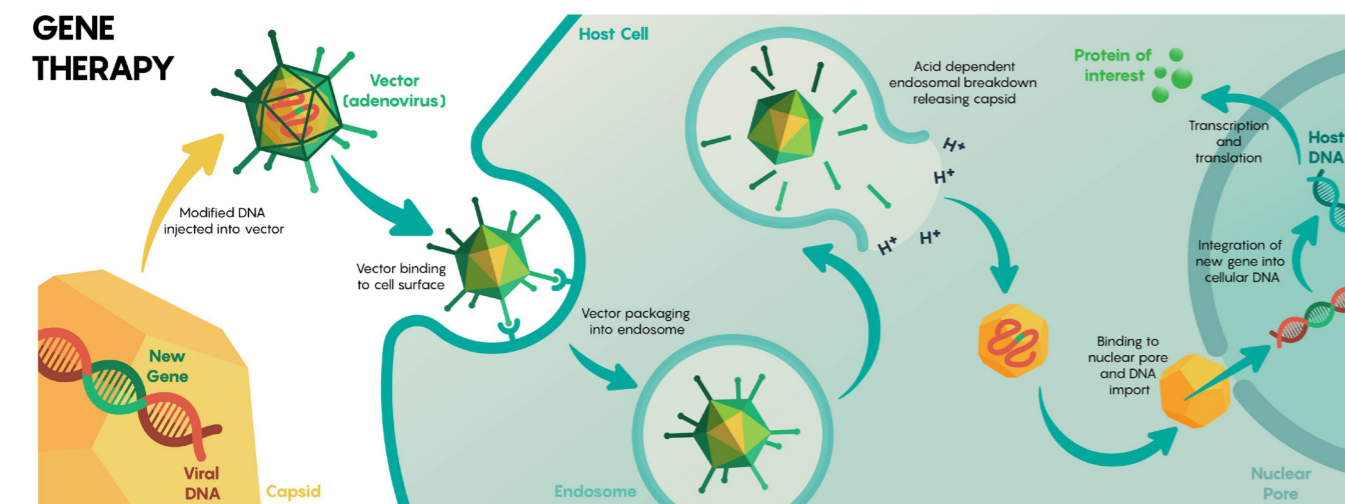
یکی از روش‌های روبه‌پیشرفت درمان سرطان استفاده از بیوتکنولوژی به‌صورت ژن درمانی است که امروزه

به‌شدت در مرکز توجه قرار گرفته است، اما این روش با محدودیت‌هایی نیز روبه‌رو است. محققان زیادی در تلاشند تا با به‌کارگیری تکنیک‌های ژن درمانی، روش‌های نوینی در درمان انواع سرطان بیابند (۴)؛ چراکه درمان‌های مرسوم برای سرطان مانند شیمی‌درمانی و پرتودرمانی با اینکه روش مؤثری برای درمان سرطان هستند، اما در بدن ماندگاری و بقای کمی دارند. به‌علت پیشرفت تومور و مقاومت به درمان و اختصاصی نبودن درمان برای هر تومور، با انجام این روش‌های مرسوم احتمال آسیب به سلول‌های سالم بدن هم وجود دارد (۱).

این نوع درمان می‌تواند به دو گونه ژن درمانی سلول‌های زاینده و سلول‌های پیکری باشد. ژن درمانی به درمان سلول‌های سرطانی حاصل از جهش‌ها ابعاد کاملاً جدیدی افزوده است که منجر به رشد کنترل‌نشده سلول‌های غیرطبیعی می‌شوند. در این روش درمانی، به‌طور کلی تلاش می‌کنند تا از رشد سلول‌های سرطانی جلوگیری کنند یا آن‌ها را کاملاً از بین ببرند و توانایی سلول‌های طبیعی را نیز برای مبارزه با سلول‌های سرطانی بهبود بخشند. چنانچه ژن‌های سرطانی از دست رفته یا تغییر یافته باشند با ژن‌های سالم جایگزین می‌شوند. این روش درمانی همچنین می‌تواند برای تحریک سیستم ایمنی

بدن برای حمله به سلول‌های سرطانی استفاده شود. از طریق این فناوری، می‌توان ژن‌ها را به‌وسیله ناقلینی مانند ویروس‌ها به بدن بیمار وارد کرد تا سلول‌های سرطانی بتوانند برای مهار انکوژن‌های^۴ سرطان‌زا، پروتئین‌های خاصی تولید کنند یا ژن‌های تحریک‌کننده تومور را متوقف سازند. مطالعات دیگر جهت یافتن امکان انتقال ژن به سلول‌های سرطانی در حال بررسی است که می‌تواند این سلول‌ها را به واکنش بیشتر به روش‌های درمان سرطان، از جمله شیمی‌درمانی و پرتو درمانی وادار سازد (۳،۴).

بنابراین این روش را می‌توان به دو دسته کلی تقسیم کرد. همان‌طور که گفته شد برخی روش‌ها، سلول‌های سالم را هدف قرار می‌دهند به این منظور که توانایی آن‌ها را در مقابله با سلول‌های سرطانی افزایش دهند. دسته دیگر، روش‌هایی هستند که سلول‌های سرطانی را هدف قرار می‌دهند تا از رشد آن‌ها جلوگیری کنند و یا آن‌ها را تخریب کنند. از اقداماتی که در این راستا انجام می‌شود، جایگزینی ژن جهش‌یافته با ژن سالم است؛ به‌عنوان مثال p53 که یک ژن ضد تومور است اگر نسخه سالم جانشین نسخه جهش‌یافته شود امکان مقابله با سرطان را به سلول برمی‌گرداند. همچنین می‌توان پاسخ ایمنی سلول را با بهره‌گیری از ژن درمانی تقویت کرد؛ به‌عنوان مثال ژن گیرنده



شکل ۲. تصویر شماتیک استفاده از ویروس‌ها در ژن درمانی (منبع: بر گرفته از کتاب علوم اعصاب دکتر ویلیام جو و همکاران)

۴ Oncogene: انکوژن‌ها یا ژن‌های تومورزا، ژن‌های تغییر یافته‌ای هستند که در حالت عادی پروتئین‌هایی را بیان می‌کنند که در کنترل رشد و تکثیر سلول‌ها نقش دارند.

- ۱ Biomarker
- ۲ Biosensors
- ۳ Targeted therapy

آبله (Poxviruses) و ویروس‌های تبخال (Herpes viruses). تفاوت این ویروس‌ها در نوع انتقال ژن‌ها به سلول‌هایی است که می‌توانند شناسایی کنند. همچنین در دائمی یا موقت بودن تغییراتی که در DNA سلول‌ها ایجاد می‌کنند، با هم متفاوت‌اند. دانشمندان ویروس‌هایی را که در ژن درمانی استفاده می‌شوند با تغییراتی بی‌خطر می‌کنند و توانایی آن‌ها را برای انتقال ژن‌های خاص به سلول‌های بیمار افزایش می‌دهند (۴).

● ویروسی که باعث می‌شود سلول‌های سرطانی خود را نابود کنند

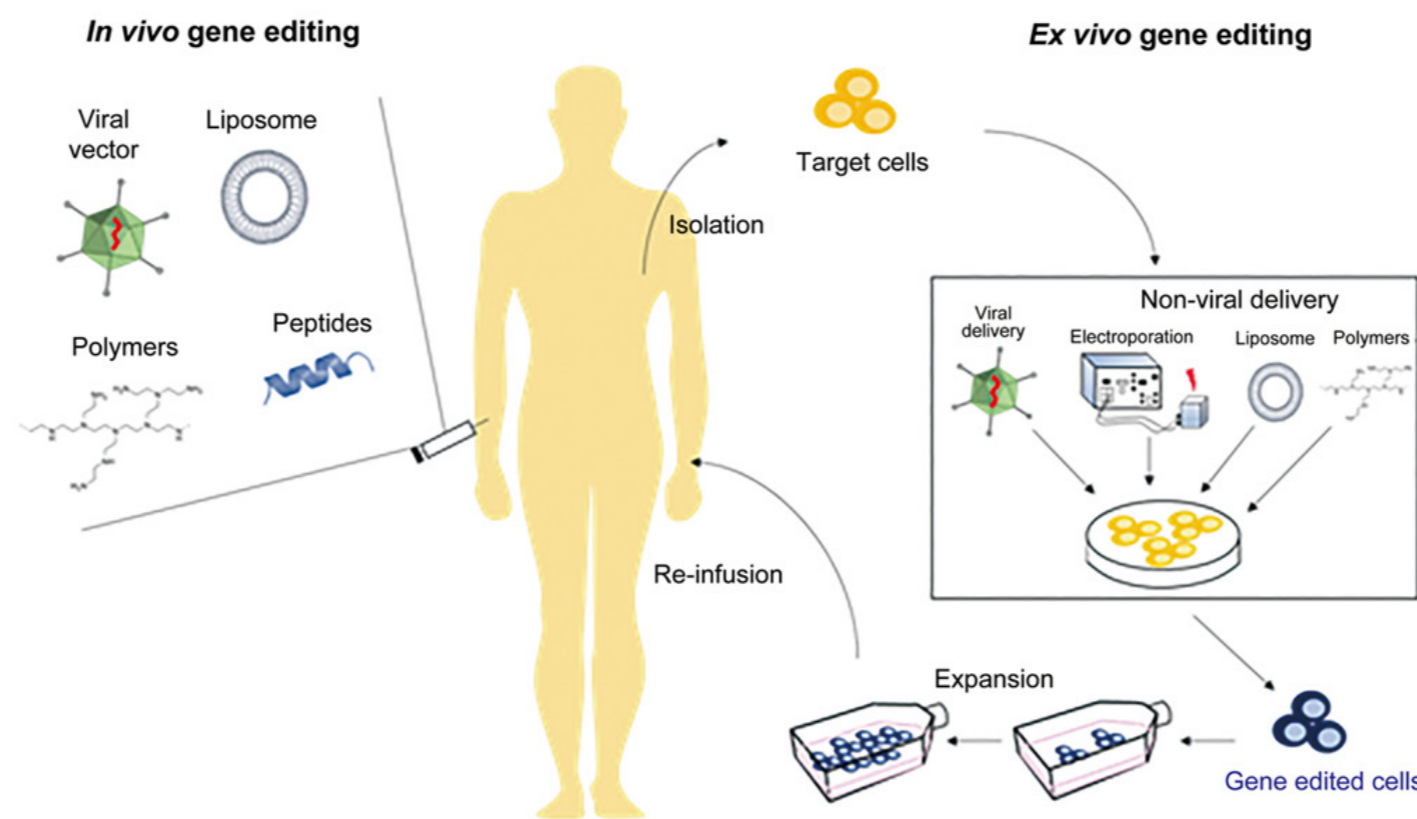
نتایج تحقیقات جدید Sheena Smith و همکارانش از دانشگاه زوریخ سوئیس (UZH) در سال ۲۰۲۱، خبر از روش درمانی نوینی برای سرطان می‌دهد که استفاده از خود بدن برای تولید ترکیبات درمانی در محل دقیق تومور است و به‌طور چشمگیری عوارض جانبی روش‌های قدیمی را محدود می‌کند. آنتی‌بادی‌های مونوکلونال^۷ یا پادتن‌های تک‌دردمانی نوعی از آنتی‌بادی‌ها هستند که در آزمایشگاه‌ها برای مقاصد تحقیقاتی یا برای درمان هدفمند انواعی از بیماری‌ها به‌خصوص سرطان تولید شده و مصرف می‌شوند. برخی آنتی‌بادی‌های مونوکلونال گیرنده‌های سطح سلول‌ها را مسدود می‌کنند، اما استفاده از این آنتی‌بادی‌ها برای درمان هدفمند سرطان، خود با چالش‌های متعددی مواجه است؛ به‌عنوان مثال نفوذ آنتی‌بادی‌ها به تومورهای جامد به‌شدت مشکل است و برای رفع این چالش نیازمند سیستم‌های تحویلی جدید هستیم که این سیستم می‌تواند استفاده از ویروس‌ها باشد.

● ویروس‌های کاربردی در ژن درمانی

بسیاری از پژوهش‌های بالینی ژن درمانی، برای انتقال ژن مطلوب از رتروویروس‌ها (Retroviruses) استفاده می‌کنند. ویروس‌های دیگری که ناقل به شمار می‌آیند شامل: آدنوویروس‌ها، ویروس‌های مرتبط با آدنو، لنتی‌ویروس‌ها (Lentiviruses)، ویروس‌های

روش، ژن هنگامی به سلول‌های بیمار منتقل می‌شود که آن‌ها خارج از بدن بیمار هستند. در تحقیقاتی دیگر، از ناقل‌هایی مثل ویروس‌ها یا لیپوزوم‌ها (ذرات چربی) برای انتقال ژن مطلوب به سلول‌های داخل بدن بیمار استفاده می‌کنند.

این نوع ژن درمانی، درون‌جاننداری (in vivo) نام دارد؛ زیرا ژن به سلول‌هایی در داخل بدن بیمار منتقل می‌شود (۴).



شکل ۳. تصویری شماتیک از ویرایش ژن in vivo و ex vivo. برای ویرایش in vivo ژن، ناقل‌های ویروسی یا غیرویروسی حامل ژن مدنظر مستقیماً به بدن تزریق می‌شوند. برای ویرایش ex vivo ژن، سلول‌های هدف جدا شده و با ویروس‌ها یا ژن‌ها ویرایش می‌شوند و دوباره به بدن تزریق می‌شوند (۵).

سلول لنفوسیت T را وارد خون فرد بیمار کرد؛ سپس این^۵ TCRها (گیرنده لنفوسیت T) مولکول‌های خاصی را شناسایی می‌کنند که در سطح سلول‌های توموری یافت می‌شود و به آن‌ها متصل می‌شوند. در نهایت، TCRها گلبول‌های سفید خون را فعال می‌کنند تا به سلول‌های توموری حمله و آن‌ها را نابود کنند.

در روش دیگر محققان حساسیت سلول‌های سرطانی را با استفاده از تقویت ژن‌ها به درمان‌هایی مثل شیمی درمانی، پرتودرمانی و سایر درمان‌ها بالا می‌برند. همچنین تلاش می‌کنند با به‌کارگیری روش‌ها و فن‌آوری‌های ژنی، با مهار رگ‌زایی^۶ در سلول سرطانی، به درمان سرطان بپردازند. در تحقیقات دیگری، پژوهشگران سلول‌های بنیادی تشکیل‌دهنده خون را از بدن خارج و به آن‌ها ژن تزریق می‌کنند تا سلول‌ها را به عوارض جانبی مربوط به دز زیاد داروهای ضدسرطان مقاوم‌تر کنند؛ سپس مجدداً این سلول‌ها را به بدن بیمار تزریق می‌کنند (۴).

● چگونگی انتقال ژن‌ها به سلول سرطانی

ناقل‌هایی که معمولاً در ژن درمانی استفاده می‌شوند، ویروس‌ها هستند؛ زیرا ویروس‌ها این توانایی منحصر به فرد را دارند که نوع خاصی از سلول‌ها را بشناسند و مواد ژنتیکی را به آن‌ها وارد کنند. در بعضی از پژوهش‌های بالینی ژن درمانی، سلول‌هایی را از خون یا مغز استخوان بیمار خارج می‌کنند و در آزمایشگاه رشد می‌دهند؛ سپس سلول‌ها را در معرض ویروسی که حامل ژن مطلوب است می‌گذارند. ویروس ژن مطلوب را با خود به DNA سلول وارد می‌کند، پس از آن سلول‌هایی که در آزمایشگاه رشد کرده‌اند را بار دیگر به رگ بیمار تزریق می‌کنند.

به این شیوه، ژن درمانی برون‌جاننداری (ex vivo) می‌گویند؛ زیرا سلول‌ها را خارج از بدن رشد داده‌اند. در این

^۷ Monoclonal antibody

^۵ T-cell receptor

^۶ Angiogenesis

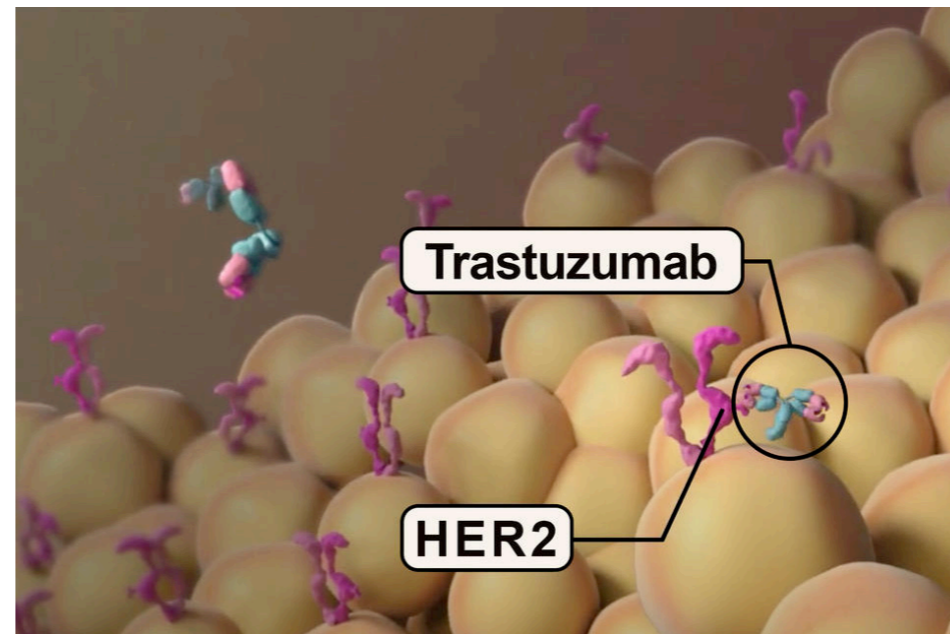
در این مطالعه، پژوهشگران با استفاده از یک آدنوویروس تنفسی که از لحاظ ژنتیکی نیز اصلاح شده است، ژن‌های درمانی مدنظر را رمزگذاری کرده و ترکیبات ضدسرطان و پیام‌رسان را بر اساس نشانگرهای زیستی روی سطح آن‌ها، مستقیماً به سلول‌های سرطانی منتقل کرده و آن‌ها را به مناطق ترشح‌کننده داروهای درمانی تبدیل می‌کنند. درواقع این ویروس باعث می‌شود سلول‌های سرطانی موادی را تولید کنند که باعث تخریب و نابودی خودشان می‌شود. آن‌ها همچنین تومور هدف را به پیام‌رسان‌های شیمیایی‌ای مانند سیتوکین‌ها نشان می‌دهند. بنا بر گفته محققان، این روش نشان‌دهنده این است که تولید آنتی‌بادی نسبت به تزریق مستقیم آن، منجر به افزایش ۱۸۰۰ برابری غلظت آنتی‌بادی تومور به سرم می‌شود.

اهمیت اصلی این موضوع این است که در استفاده از این روش سمیت سیستمیک^۸ کاهش می‌یابد و برخلاف شیمی‌درمانی یا رادیوتراپی، هیچ آسیبی به سلول‌های سالم طبیعی نمی‌رساند، حتی می‌تواند به‌طور بالقوه برای تحویل هدفمند و مستقیم داروی کووید-۱۹ به ریه‌ها نیز استفاده شود.

در واقع در این روش، پژوهشگران تومور را فریب می‌دهند تا از طریق تولید عوامل ضدسرطان، خودش را از بین ببرد و نکته درخور توجه این است که عوامل درمانی‌ای مانند آنتی‌بادی‌های درمانی یا مواد پیام‌رسان، در محل مدنظر بدن باقی می‌مانند و در سراسر جریان خون پخش نمی‌شوند تا از آسیب به اندام‌ها و بافت‌های سالم جلوگیری بشود. این رویکرد نوین Shielded Retargetted Adenovirus (SHREAD) نام‌گذاری شده است.

رویکرد اصلی این پژوهش این است که یک آنتی‌بادی مونوکلونال کدگذاری‌شده در DNA دو رشته‌ای ویروس، به سلول‌های مجاور صدمه بزند و آن‌ها را از بین ببرد. در روند این آزمایش، آنتی‌بادی

تراستوزوماب^۹ (TZB) تولیدشده که ضدگیرنده HER2 است را روی تومورهایی با بیان زیاد HER2، در موش‌ها اثر دادند و با مسدود کردن گیرنده HER2 در سطح سلول‌های سرطانی، دریافت سیگنال‌های رشد، متوقف شدند. همچنین مشاهده شد که تراستوزوماب به‌طور مستقیم روی سلول‌های تومور موش‌ها اثر می‌کند و این موضوع ثابت کرد که اثر ضدتوموری آنتی‌بادی مونوکلونال، با غلظت آن در تومور ارتباط مستقیم دارد. همچنین مشاهده شد که طی چند روز، سطح آنتی‌بادی داخل تومور بیشتر از حد ممکن بود و در مقایسه با تزریق مستقیم، تأثیر آن بر جریان خون و سایر بافت‌ها به‌طور درخور توجهی پایین‌تر بود و این نکته به کاهش عوارض جانبی کمک می‌کند.



شکل ۴. اتصال آنتی‌بادی TZB به HER2 سطح سلول سرطانی و مسدود شدن آن (منبع: موسسه ملی سرطان)

در این روش از تصویربرداری کانفوکال^{۱۰} استفاده شده است که برای اندازه‌گیری اثربخشی تحویل پاراکرین در مقایسه با تزریق مستقیم این کار را انجام داده‌اند. تحویل پاراکرین شکلی از سیگنال‌دهی سلولی است

که برای ایجاد تغییرات در سلول‌های مجاور ایجاد می‌شود.

یکی از بهترین ویژگی‌های روش کنونی این است که فقط به سرطان محدود نمی‌شود. پژوهشگران این مطالعه گزارش دادند که با عایق‌بندی بافت‌های سالم با سطح مناسبی از یک ماده فعال، راه را برای سایر روش‌های درمانی نیز باز می‌کنند؛ به‌عنوان مثال استفاده راحت‌تر از برخی از داروهای بیولوژیک را ممکن می‌سازد. استفاده از چنین مواد بیولوژیکی از طریق تزریق آن‌ها به بدن به روش‌های مرسوم، بیش از حد سمی است و ممکن است به بدن آسیب برساند. پژوهشگران امیدوارند که این روش به محافظت از بیماران در برابر عوارض جانبی درمان سرطان کمک خواهد کرد (۶).

منابع



امروزه با پیشرفت‌هایی که در درمان سرطان حاصل شده است، اکثر آن‌ها درمان‌پذیر هستند. این پیشرفت ابتدا مدیون تشخیص زودهنگام و مهار تکثیر سلول‌های سرطانی است و در گام بعد، به‌علت استفاده از روش‌های نوین درمان است، اما همچنان علت اصلی مرگ ناشی از سرطان، متاستاز است و وقتی سلول‌های سرطانی در قسمت‌های مختلف بدن پخش شوند، کنترل پیشرفت بیماری مشکل خواهد شد.

۸ Systemic toxicities

۹ Trastuzumab

۱۰ Confocal

واکسن ایرانی mRNA علیه کووید-۱۹

سپیده فرجی
دانشجوی کارشناسی بیوتکنولوژی
دانشگاه الزهرا تهران

طی دو سال اخیر SARS-CoV-2 به صورت پاندمی تمام جهان را تحت تأثیر قرار داده است و سلامت افراد مختلف را در سطح جهان به خطر انداخته است. در این مدت تلاش پزشکان و دانشمندان برای کشف دارویی مؤثر برای مقابله با این ویروس جدید شدت گرفته است. SARS-CoV-2 یکی از اعضای خانواده coronaviridae است. اعضای این خانواده، ویروس‌های RNA دار تک رشته‌ای هستند. ویروس کووید-۱۹ نیز دارای RNA مثبت تک رشته‌ای است. انتقال این ویروس از راه تماس نزدیک با فرد مبتلا و وسایل آلوده به ویروس و انتشار آئروسول (ذرات معلق در هوا) امکان پذیر است (۱،۲). در تمامی روش‌های طراحی واکسن، ایده اصلی این است که جزء خاصی از ویروس کووید-۱۹ وارد بدن شود تا از این طریق سیستم ایمنی بدن آماده شود و در برخورد حقیقی با ویروس کووید-۱۹ نیز مقاومت کند. این جزء ساختاری همان زائده‌های تاجی شکل روی سطح ویروس کرونا به نام Spike protein است که نقش مهمی در اتصال اولیه ویروس به سلول میزبان و ورود به

● انواع واکسن‌ها علیه کووید-۱۹
تاکسون از چهار روش برای ساخت واکسن علیه این ویروس در سراسر جهان استفاده شده است.

واکسن ویروس غیر فعال شده
واکسن پروتئین نو ترکیب
واکسن وکتور ویروسی
واکسن mRNA

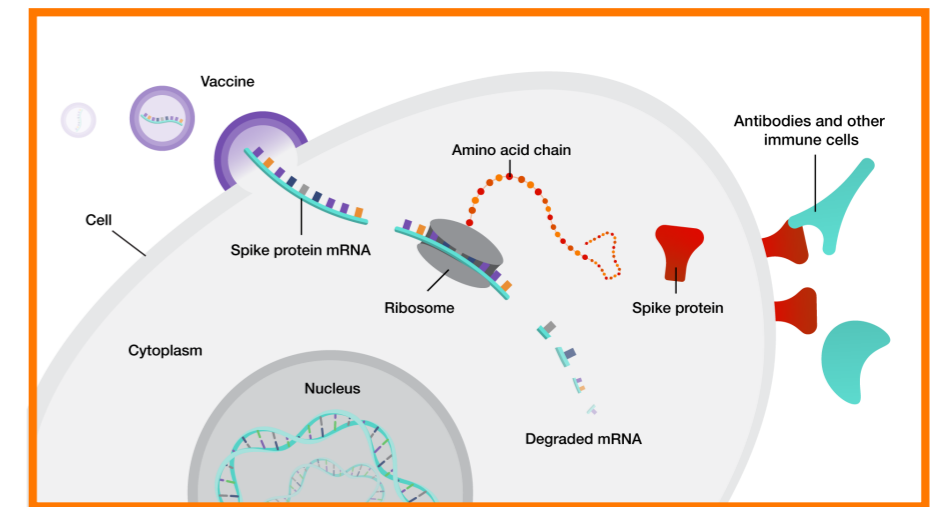
در بین این روش‌ها، واکسن‌های بر پایه mRNA دارای مزایایی هستند؛ از جمله اینکه mRNA ها به جای هسته به سیتوپلاسم تحویل داده می‌شوند و خطر ادغام ژنومیک را غیرممکن می‌سازند. همچنین سرعت بالای ترجمه آنزیمی در شرایط آزمایشگاهی (IVT^۱) طی چند روز پس از تعیین توالی ژنی، تولید انبوه آن را در مدت زمان کوتاهی امکان پذیر می‌سازد. علاوه بر این، تولید انبوه آن بدون نیاز به کشت سلول یا ویروس است. دو ویژگی مهم این واکسن‌ها که تاکنون توسط شرکت‌های اصلاح شده و تولید ذرات نانولیپیدی (LNPs^۲) به عنوان حامل آن‌ها است.

● واکسن‌های mRNA
mRNA مرحله میانی بین ترجمه DNA کدکننده پروتئین و تولید پروتئین توسط ریبوزوم در سیتوپلاسم است. دو نوع اصلی RNA اخیراً برای تولید واکسن تحت مطالعه قرار گرفته است: mRNA غیر تکرار شونده و RNA خود تقویت کننده ویروسی مشتق شده از ویروس. واکسن‌هایی که بر پایه mRNA هستند فقط آنتی ژن مدنظر را رمزگذاری می‌کنند ولی RNA خود تقویت کننده نه تنها آنتی ژن را، بلکه تشکیلات تکثیر ویروس را نیز کد می‌کند که تقویت RNA و بیان پروتئین را امکان پذیر می‌کند. mRNA خود تکرار شونده در بدن، یکی از انواع mRNA واکسن‌ها است که رشته mRNA پاتوژن با رشته‌های اضافی RNA همراه می‌شود که مطمئن شود پس از قرار گرفتن واکسن داخل سلول، کپی می‌شود بدین معنی که مقدار بیشتری از آنتی ژن به ازای مقادیر کمتری از واکسن تولید می‌شود و این کمک می‌کند تا از یک پاسخ ایمنی قوی‌تر اطمینان حاصل شود از آنجایی که mRNA بدون پوشش به سرعت توسط RNase های خارج سلولی تجزیه می‌شود، بنابراین وجود یک پوشش مثل LNP ها برای آن لازم است. این وضعیت به RNA امکان می‌دهد تا به درون سلول رفته و به پروتئین ترجمه شود.

۱ In Vitro Transcription
۲ Lipid nanoparticles



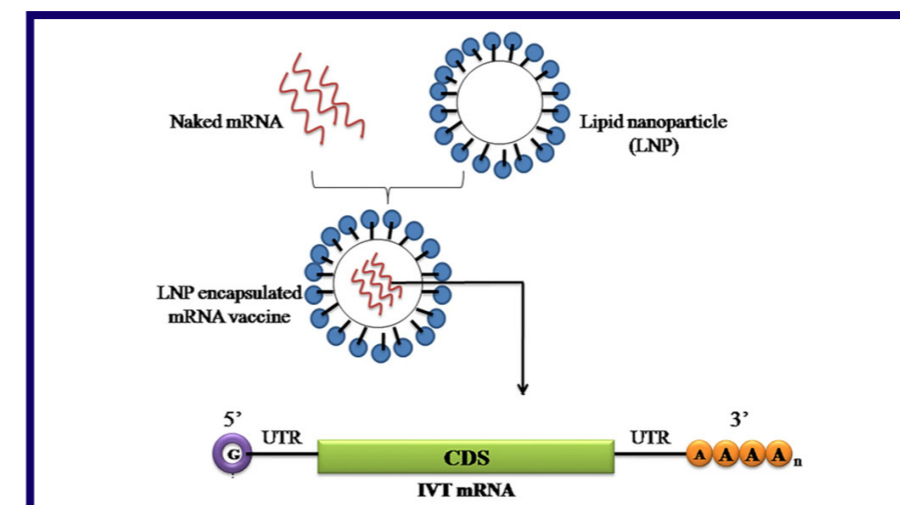
واکسن mRNA از تولید کد ژنتیکی برای سلول‌های بدن به منظور تولید پروتئین‌های ویروسی در سلول استفاده می‌کند. بعد از تولید پروتئین‌هایی که خودشان بیماری ایجاد نمی‌کنند، بدن یک پاسخ ایمنی ارائه می‌کند که می‌تواند در مواجهه واقعی با ویروس از آن استفاده کند. هنگامی که mRNA به سیتوزول منتقل می‌شود، ماشین ترجمه سلولی پروتئین را تولید می‌کند که تحت تغییرات پس از ترجمه قرار می‌گیرد و در نتیجه یک پروتئین کاربردی شکل می‌گیرد. mRNA در نهایت توسط فرآیندهای فیزیولوژیکی طبیعی سلول تجزیه می‌شود (۳،۴).



شکل ۱. نحوه عملکرد واکسن mRNA (منبع: سایت مؤسسه ملی تحقیقات ژنوم انسانی)

● واکسن mRNA ایرانی

دکتر علیرضا نادری سهی و همکاران در سال ۲۰۲۱ پژوهشی در ارتباط با استفاده از تکنولوژی mRNA برای تولید واکسن علیه بیماری کووید-۱۹ انجام داده‌اند که نتایج آن در مجله vaccine به چاپ رسیده است. این محققان از mRNA کدکننده پروتئین spike و از LNPها به عنوان ذرات حامل mRNA استفاده کردند. دلیل استفاده از LNPها، زیست‌سازگاری مناسب، پایداری طولانی مدت و ظرفیت بارگذاری زیاد است.



شکل ۲. LNPهای حاوی mRNA کدکننده پروتئین‌های spike (۱)

برای طراحی این نوع واکسن‌ها برخی اصلاحات برای mRNA حاصل توسط سلول‌های ارائه‌دهنده آنتی‌ژن (APCs^۳) پیشنهاد شده است.

استفاده از کلاهیک^۵ بهینه‌سازی شده و آنالوگ‌های نوکلئوزیدی و همچنین اضافه کردن ناحیه کدکننده RNA پلیمراز برای به دست آوردن mRNA خودتقویت کننده دو روش پیشنهادی هستند. این واکسن ایرانی از mRNAهای کدکننده پروتئین Spike اصلاح‌نشده ساخته شده است که با روش خاصی درون نانوذرات لیپیدی قرار گرفته‌اند. واکسن mRNA-LNP تولید شده توسط این محققان در زمینه‌های مختلفی روی موش و میمون رزوس تحت بررسی قرار گرفته است که ما به برخی از آن‌ها از جمله بررسی سمیت سلولی، ایمنی‌زایی و همچنین پایداری می‌پردازیم.

● بررسی سمیت سلولی

برای مطالعه سمیت سلولی mRNA-LNPها کشت سوسپانسیون سلولی و کشت سلولی چسبند به ترتیب با رده‌های سلولی KG-1 (ماکروفاژ جدا شده از اسپیراسیون مغز استخوان) و HEK293T (سلول‌های کلیه جنین انسان) انجام شد.

بعد از گذشت ۲۴ ساعت که سلول‌ها درون چاهک پلیت بذریاشی شدند، غلظت‌های مختلف mRNA-LNPها و همچنین mRNAها اضافه شدند؛ سپس زنده ماندن سلول‌ها ۲۴ و ۷۲ ساعت بعد تحت مطالعه قرار گرفت. سمیت سلولی مشاهده شدنی‌ای در هیچ کدام از رده‌های سلولی شناسایی نشد.

پس از ۲۴ ساعت سلول‌ها به همان صورت باقی ماندند و پس از ۷۲ ساعت نیز حتی با وجود بالابردن غلظت mRNA-LNP با اینکه درصد زنده ماندن سلول‌ها اندکی کاهش یافت، اما باز هم این میزان برای هر

دوره بیشتر از ۵۰ درصد بود (رده سلولی کلیه جنین انسان بیشتر زنده ماند؛ در نتیجه سمیت درخور توجهی برای هر دو رده سلولی در بر نداشت.

● مطالعات حیوانی

بررسی قدرت واکسن mRNA-LNP، در القای ایمنی همورال (نوعی دفاع اختصاصی)، با تزریق عضلانی مقادیر مختلفی mRNA کدکننده پروتئین spike در دو گونه موش و یک گونه میمون رزوس تحت مطالعه قرار گرفت.

در موش‌ها از ۱ تا ۱۰ میکروگرم mRNA کدکننده، به تعداد مشخصی از آن‌ها در شرایط استاندارد و غذای معمولی و آب کافی تزریق و نتایج را بررسی کردند. در میمون‌های رزوس نیز ۱۰۰ میکروگرم mRNA کدکننده به صورت عضلانی تزریق شده و در هر دو گونه، خون پس از طی بازه‌های زمانی مشخص بررسی و آنالیز شد. به این صورت که خون‌های جمع‌آوری شده در لوله‌های جداکننده برای جداسازی سرم به مدت ۱۰ دقیقه سانتریفیوژ شدند.

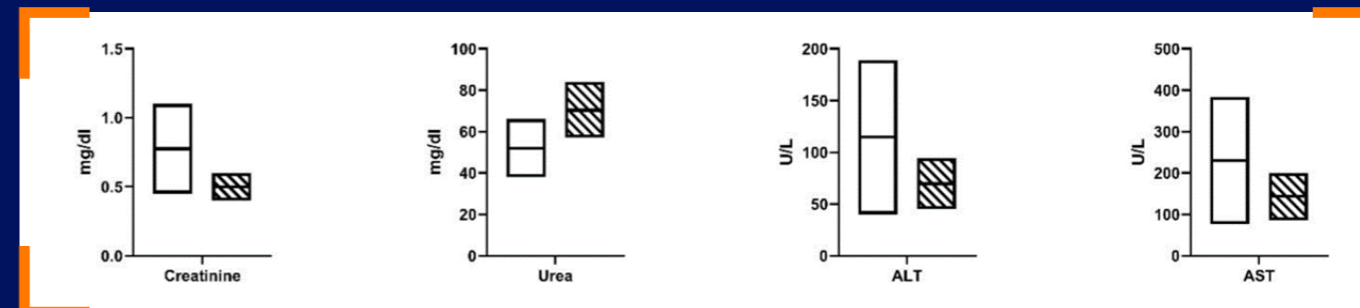
سرم خونی جدا شده جهت شناسایی پروتئین‌ها به چاهک‌های میکروپلیت منتقل شده و برای بهینه‌سازی با بافر رقیق کننده و همچنین آنتی‌بادی‌های ثانویه برای شناسایی و تشخیص آنتی‌بادی‌ها جدید مخلوط شد.

نتایج سرولوژیکی در دو مرحله، ابتدا دو هفته پس از تزریق اول و سپس دو هفته پس از تزریق دوم، افزایش درخور توجهی در آنتی‌بادی‌های ضداسپایک نشان داد. در مرحله اول؛ یعنی دو هفته پس از تزریق اول واکسن‌های حاوی ۱ میکروگرم LNPs-mRNA تأثیر بیشتری در افزایش آنتی‌بادی‌ها در خون موش‌ها داشتند، اما پس از تزریق مرحله دوم یعنی دو هفته پس از دوز تقویت کننده، واکسن‌های حاوی ۱۰ میکروگرم LNPs-mRNA، تأثیر بیشتری در افزایش آنتی‌بادی‌ها داشتند.

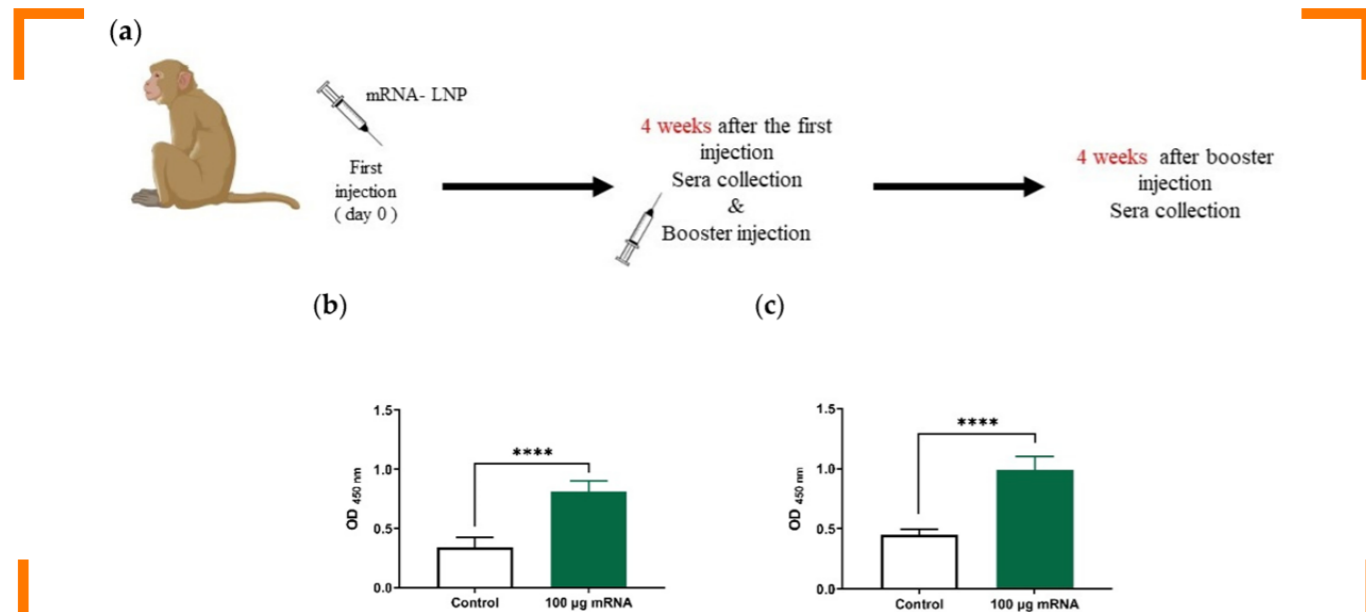
● بررسی ایمنی سلولی

مطالعه روی سه گروه از موش ها انجام گرفت. پنج موش از هر دو گونه مورد مطالعه، با mRNA-LNP یک میکروگرمی و دو گروه مشابه دیگر، با نمونه ۱۰ میکروگرمی از mRNA-LNP واکسینه شده و پس از چهار هفته از تقویت کننده را دریافت کردند. پس از گذشت ۵ ماه هیچ مرگی در بین موش ها مشاهده نشد. پارامترهایی مثل سطح کراتینین در سرم خون (جهت ارزیابی عملکرد کلیه)

و سطح آنزیم های کبدی آلانین آمینوترانسفراز (ALT^۴) و آسپاراتات آمینوترانسفراز (AST^۵) (برای بررسی سلامت کبد) در محدوده نرمال قرار داشت. همچنین سنجش ELISA^۶ و تست خنثی کننده وپروس (VNT^۷) نشان داد که سطح آنتی بادی تولید شده علیه پروتئین های spike وپروس کووید-۱۹ افزایش آشکاری داشته است.



شکل ۳. سطح سرمی کراتینین، اوره، ALT و AST در موش ها، یک هفته بعد از تزریق دوم حاوی ۱۰ میکروگرم mRNA. مستطیل سفید محدوده نرمال و مستطیل هاشور خورده نتیجه آزمایش است (۴).



شکل ۴. بررسی ایمنی زایی واکسن در میمون های رزوس. تصویر شماتیکی از برنامه تزریق واکسن به میمون های رزوس (تصویر a) و مقایسه سطح سرمی آنتی بادی در روز بیست و هشتم (تصویر b)، روز پنجاه و هشتم (تصویر c) بین میمون های واکسینه شده و گروه کنترل (برگرفته از منبع ۴)

بر این تکنولوژی، به علت انعطاف پذیری پلتفرم آن، توانایی پیشرفت سریع تر و تغییر پذیری بیشتری بر اساس تغییرات توالی اسید نوکلئیک در برابر سویه های جدید وپروس بوده است و می تواند راه حلی امیدبخش برای پایان دادن به وضعیت پاندمی باشد.

محققان در مطالعه خود نوشتند که در آزمایشگاه شان مطالعات بیشتری در رابطه با ایمنی و ایمنی زایی سلولی در پستانداران غیر انسانی واکسینه شده ادامه دارد.

● بررسی پایداری

پایداری و ماندگاری واکسن های mRNA-LNP پس از یک ماه نگهداری در یخچال با دمای حدود ۵ درجه سانتی گراد، نشان می دهد که آن ها حتی به مدت ۲۴ ساعت در دمای اتاق با دمای حدود ۲۵ درجه سانتی گراد، باقی می مانند. در نتیجه حمل و نگهداری این واکسن ها نسبت به دیگر انواع واکسن ها ساده تر است. می توان این پایداری دمایی را به وجود LNP ها نسبت داد (۴). تولید واکسن mRNA-LNP علیه وپروس کرونا یک دستاورد بزرگ علمی است که کمک شایانی در تولید سایر واکسن های mRNA در ایران خواهد کرد. ایمنی زایی این فناوری در دو گونه موش و یک گونه میمون رزوس بررسی شده است و از سطوح علمی و شفافیت زیادی در مقایسه با نمونه های مشابه برخوردار است. فناوری استفاده از mRNA های حاوی کدهای پروتئین های وپروس، تحولی پرسرعت در پیشگیری از بیماری های وپروس و پاندمیک است. واکسن های تولید شده مبتنی

واکسن های mRNA-LNP حاوی ۱ یا ۱۰ میکروگرم mRNA به طور معناداری بیشتر از گروه کنترل بود. این در حالی است که هیچ تغییر مهمی در سطح اینترلوکین ۴ در سرم موشی مشاهده نشد. اینترلوکین ۴، ماده ترشحی سلولی، نوعی سایتوکاین بوده و تنظیم کننده تولید آنتی بادی است و نقش مؤثری در پاسخ سلول های T دارد و از سلول های T ترشح می شود.

برای بررسی بیشتر ایمنی زایی، mRNA-LNP حاوی ۱ یا ۱۰ میکروگرم mRNA کد کننده در دو دز به همان دو گونه از موش ها تزریق شد که نتایج حاصل نشان دهنده میزان بالاتری از آنتی بادی در سرم موش ها بود. این موضوع اهمیت دز تقویت کننده را نشان می دهد. همچنین در سلول های طحال میزان ترشح اینترفرون گاما^۸ به عنوان نشانگر پاسخ ایمنی زیستی مبتنی بر سلول های T کمکی^۹ (Th1) در موش های دریافت کننده

۴ ALT: Alanine aminotransferase

۵ AST: Aspartate Aminotransferase

۶ ELISA که مخفف Enzyme-Linked immunosorbent assay است، یک آزمایش بیوشیمیایی تحلیلی است. تست الایزا آزمایشی استاندارد برای تشخیص و تعیین میزان مواد موجود در خون از جمله آنتی بادی و هورمون ها است.

۷ Virus Neutralizing Test

۸ Interferon gamma

۹ نوعی سلول T که تولید کننده اینترفرون گاما، اینترلوکین II و فاکتور نکروز تومور بتا که فعال کننده ماکروفاژها است.

۱۰ Interleukin 4

منابع



اسرار پنهان پالم

سارا عسکری

دانشجوی کارشناسی بیوتکنولوژی دانشگاه آزاد ارومیه



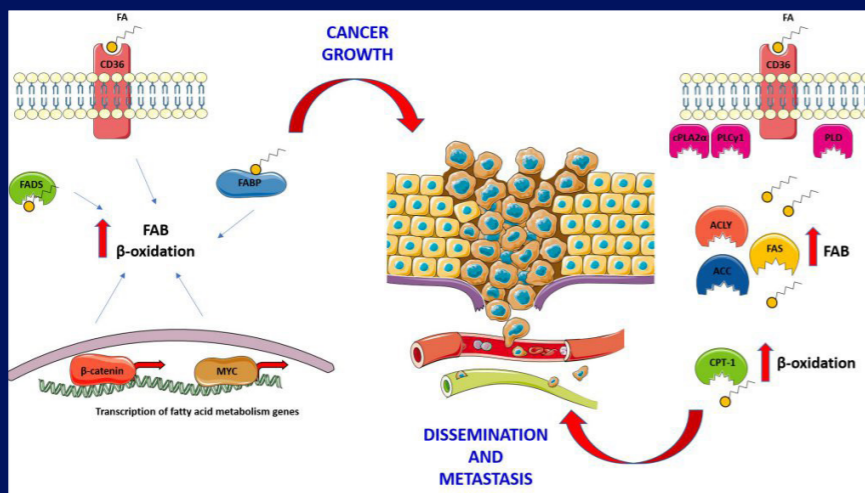
آنتی‌بادی درمانی که گیرنده‌های CD36 را مهار می‌کنند در موش‌هایی که تومورهای موضعی^۲ داشتند از گسترش سلول‌های سرطانی جلوگیری خواهند کرد اما اینکه چه مکانیسم‌های بیولوژیکی در این امر دخیل هستند و اینکه آیا همهٔ اسیدهای چرب به متاستاز کمک می‌کنند، هنوز مشخص نبود (۴۵).

در مطالعهٔ جدیدی که توسط Salvador Aznar Benitah و همکارانش در سال ۲۰۲۱ صورت گرفت، نشان می‌دهد که برنامه‌ریزی مجدد^۳ مسیرهای متابولیکی باعث شروع و انتشار سلول‌های سرطانی و متاستاز می‌شود. در این مسیرهای متابولیکی نامنظم تغییرات در متابولیسم لیپید نقش مهمی در متاستاز سرطان دارد. اسیدپالمیتیک اسیدچربی است که معمولاً در روغن پالم یافت می‌شود و ژنوم سرطان را تغییر می‌دهد و احتمال گسترش سرطان را افزایش می‌دهد. سایر انواع اسیدهای چرب، از جمله اسیدهای چرب اسیدلینولئیک^۵ و اسیدولئیک^۶ موجود در غذاهایی مانند روغن زیتون و دانه‌های کتان، این اثر پرومتاستاتیک^۷ را نداشتند. نتایج نشان می‌دهد که رژیم غذایی حاوی اسیدپالمیتیک در مقدار کم می‌تواند به‌طور عملی در کند کردن روند متاستاتیک مؤثر باشد (۵، ۶).

متاستاز را تشخیص داد. تخمین زده می‌شود که متاستاز عامل نود درصد مرگ‌ومیر ناشی از سرطان باشد. این موضوع اهمیت شناسایی هر چه بیشتر فرایندهای تأثیرگذار روی متاستاز سرطان را نشان می‌دهد (۲۳).

Salvador Aznar Benitah و همکاران در سال ۲۰۱۶ نشان دادند که یک پروتئین سطحی سلولی به نام CD36 برای متاستاز سرطان ضروری است. CD36 یا ترانس‌لوکاز اسیدچرب، پروتئینی است که توسط ژنی با همین نام (CD36) کد می‌شود. این پروتئین یک تنظیم‌کنندهٔ سوخت‌وساز لیپیدی برای انتقال اسیدچرب زنجیرهٔ بلند (دارای ۱۴ تا ۲۲ کربن) از گردش خون به قلب و ماهیچهٔ اسکلتی و بافت چربی در نظر گرفته می‌شود. در مطالعه‌ای که این پژوهشگران انجام دادند، موش‌هایی که با رژیم غذایی پرچرب تغذیه شدند مستعد متاستاتیک بالاتری در سلول‌های سرطانی سنگفرشی دهان بودند.

علت آن هم افزایش درصد بیان CD36 بوده است. بیان CD36 پیش‌بینی می‌کند که بقای ضعیفی وجود دارد و فرآیند متاستاز به‌زودی رخ خواهد داد؛ بنابراین، اگر رشد بدخیم در بدن وجود داشته باشد، اسیدهای چرب خاص می‌توانند باعث گسترش سریع متاستازها شوند.

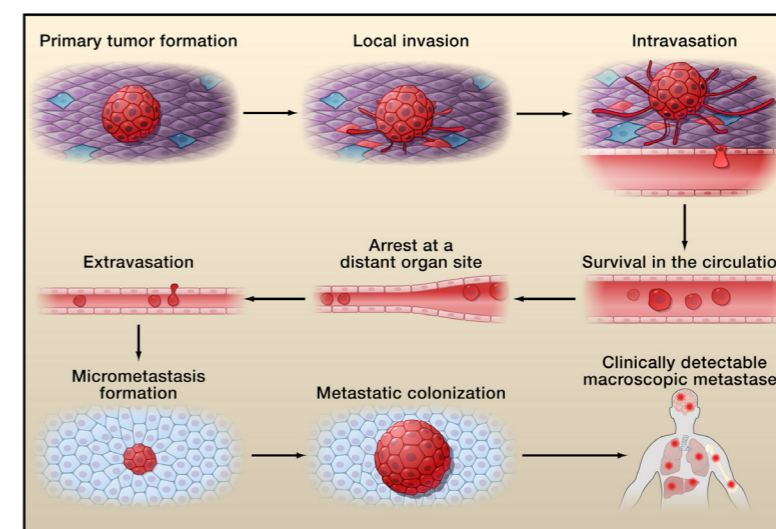


شکل ۲. تصویر شماتیک تکثیر، بقا و متاستاز سرطان به‌واسطهٔ اسیدهای چرب (۵)

جداشدن سلول‌های سرطانی معمولاً از ماتریکس خارج سلولی رخ می‌دهد. زمانی که سلول‌ها از ماتریکس خارج سلولی جدا می‌شوند طی مرگ برنامه‌ریزی شده یا سایر مکانیسم‌ها از بین می‌روند اما سلول‌های تومور به‌علت

تغییر سیستم‌های آنزیمی و مسیرهای سیگنالی از مرگ برنامه‌ریزی شده فرار می‌کنند. ادامهٔ روند متاستاز باعث درگیری اعضای بیشتری شده و در نتیجه درمان را دشوارتر یا حتی غیرممکن می‌سازد. عموماً در متاستاز بیشتر ویژگی‌های

طبق آخرین گزارش‌های سازمان جهانی بهداشت، سرطان یکی از علل اصلی مرگ و میر در جهان است که حدود دهمیلیون مرگ در سال ۲۰۲۰ را به خود اختصاص داده است (۱). در برخی بیماران، سلول‌های



شکل ۱. گسترش سلول‌های سرطانی (۲)

که در مراحل پیشرفتهٔ سرطان‌ها ایجاد می‌شود. فرایند سلول اولیه حفظ می‌شود و از همین راه نیز می‌توان منشأ

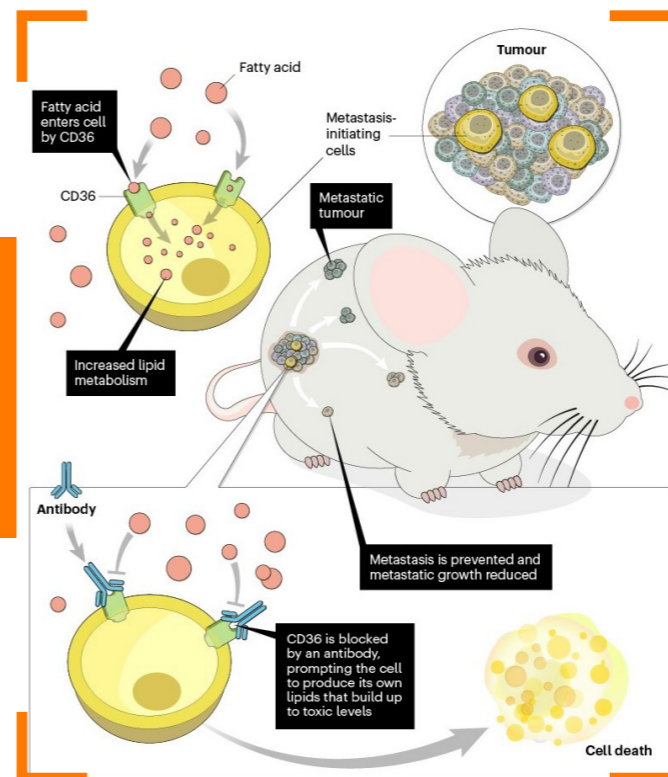
- ۲ localized tumors
- ۳ Reprograming
- ۴ Palmitic acid
- ۵ Linoleic acid
- ۶ Oleic acid

۷ پرومتاستاتیک (pro-metastatic) یعنی عاملی که باعث متاستاز شود.

۱ Metastasis

این مطلب آن‌چنان مهم است که تحقیقات درباره آن همچنان ادامه دارد. یافته‌های جدید در رابطه با رژیم غذایی غنی از اسیدپالمیتیک، بر خطرات بلندمدت پیشرفت متاستاز سرطان و لزوم کاهش اسیدهای چرب در مواد غذایی تأکید می‌کند. انتظار می‌رود آزمایش‌های بالینی برای تست آنتی‌بادی درمانی در آینده به کار برده شود.

منابع



شکل ۳. انسداد گیرنده اسیدچرب CD36 در سلول‌های شروع‌کننده متاستاز با آنتی‌بادی‌های خاص و جلوگیری از گسترش سلول‌های سرطانی (۴)

مطالعات نشان داد که وقتی اسیدپالمیتیک به رژیم غذایی موش‌ها اضافه شد، نه تنها به متاستاز کمک کرد، بلکه اثرات طولانی‌مدتی بر ژنوم داشت. سلول‌های سرطانی که فقط برای مدت کوتاهی در معرض اسیدپالمیتیک در رژیم غذایی قرار گرفته بودند، حتی زمانی که اسیدپالمیتیک از رژیم غذایی حذف شده بود، به شدت متاستاتیک باقی ماندند. تومورهای موش‌هایی که با رژیم غذایی کوتاه‌مدت غنی از روغن پالم تغذیه شده بودند، یا سلول‌های توموری که برای مدت کوتاهی در معرض اسیدپالمیتیک در شرایط آزمایشگاهی قرار گرفتند، حتی بدون قرار گرفتن بیشتر در معرض سطوح بالای اسیدپالمیتیک، به شدت متاستاتیک باقی ماندند. محققان دریافتند که این حافظه پرومتاستاتیک^۸ با تغییرات اپی‌ژنتیکی^۹ مرتبط است که عملکرد سلول‌های سرطانی متاستاتیک را تغییر می‌دهد و به آن‌ها اجازه می‌دهد تا شبکه‌ای عصبی در اطراف تومور تشکیل دهند تا با سلول‌های محیط نزدیک خود ارتباط برقرار کنند و راحت‌تر پخش شوند. آن‌ها نوشتند: «نتایج ما نشان می‌دهد که اسیدپالمیتیک رژیم غذایی نه تنها متاستاز را تحریک می‌کند، بلکه این کار را با ثبات بلندمدت، از طریق یک حالت رونویسی انجام می‌دهد که سلول‌های داخل توموری را تحریک می‌کند». حالت پیش‌سازنده مربوط به ترشح یک ماتریکس خارج‌سلولی تخصصی است که توسط سلول‌های متاستاتیک که در معرض اسیدپالمیتیک قرار می‌گیرند ترشح می‌شود. به این ترتیب ارتباط با پیام‌رسان‌های شیمیایی (نوروپپتیدی به نام گالانین) صورت می‌گیرد و جداسدن سلول سرطانی رخ خواهد داد (۶).

^۸ prometastatic memory

^۹ تغییرات اپی‌ژنتیکی یعنی تغییرات DNA که توالی آن را تغییر نمی‌دهد و روی فعالیت ژن اثر می‌گذارد.

جدال نانوبیوتکنولوژی و مقاومت آنتی بیوتیکی

یگانه مرادی

دانشجوی کارشناسی بیوتکنولوژی
دانشگاه شهاب دانش

در سال ۲۰۲۰، سازمان بهداشت جهانی، افزایش روبه رشد مقاومت‌های آنتی بیوتیکی (AMR^۱) را یک تهدید جدی برای سلامت عمومی جهانی اعلام کرد که غالباً بر اثر استفاده بی‌رویه از آنتی بیوتیک‌های قوی به وجود آمده است و در نهایت با ایجاد باکتری‌های مقاوم به داروهای مثل پنی سیلین^۲، متی سیلین^۳، ونکومایسین^۴، ماکرولیدها^۵، سولفونامید^۶ و حتی باکتری‌هایی که به چندین دارو مقاومت دارند منجر به افزایش درصد مرگومیر می‌شوند امروزه به نظر می‌رسد با وجود نقش مهمی که فناوری نانو در بازسازی فعالیت آنتی بیوتیک‌ها علیه باکتری‌های مقاوم به داروها ایفا می‌کند اصلی‌ترین استراتژی در برابر مقاومت‌های میکروبی، توسعه فناوری‌های دارویی جدید بر پایه نانوتکنولوژی و سیستم تحویل دارویی (DDS^۷) است (۱-۳).

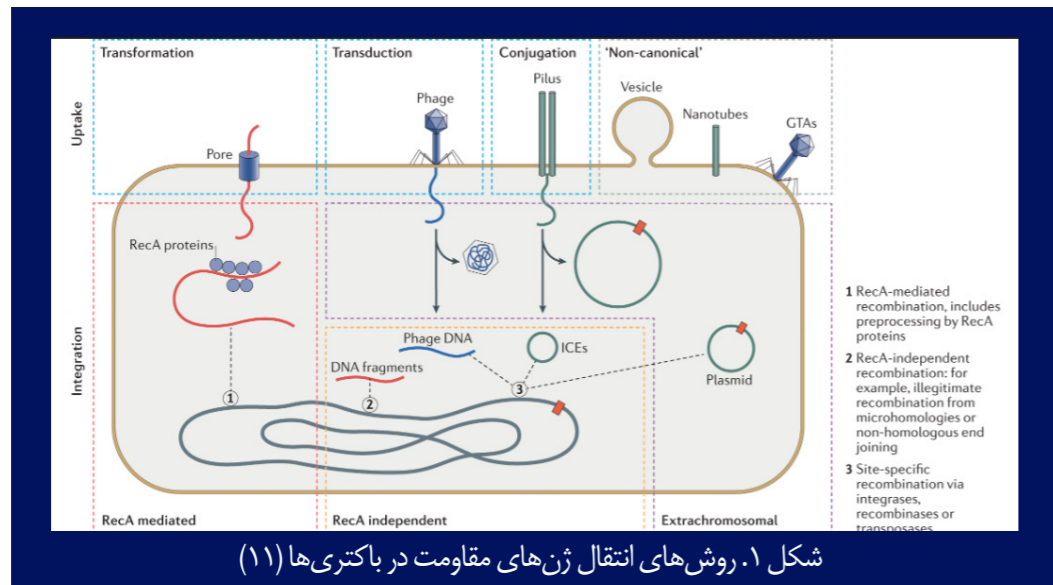
● باکتری‌های هوشمند

باکتری‌ها موجودات بسیار پیچیده‌ای هستند. آن‌ها از طریق مکانیسم‌های مختلفی در برابر آنتی بیوتیک‌ها مقاومت می‌کنند و دائماً مکانیسم‌های مقاوم در برابر داروهای آنتی بیوتیکی و آنالوگ‌های آن‌ها را ایجاد می‌کنند و نسبت به آن‌ها مقاوم می‌شوند. با این حال مقاومت باکتری‌ها نسبت به داروها به معنی توقف پاسخ‌دهی آن‌ها به آنتی بیوتیک‌ها نیست فقط در باکتری‌های مقاوم، اثر بخشی آنتی بیوتیک‌ها در غلظت‌های بالاتری رخ می‌دهد (۳-۵). گاهی خود آنتی بیوتیک‌های خوراکی یا وریدی، نقص ساختاری داشته و کمتر جذب بدن بیمار می‌شوند، اما گاهی هم خود بیمار مقدار کمتری از داروهای ضد میکروبی را مصرف می‌کند و یا در برنامه‌ریزی شده را از دست می‌دهد در هر سه حالت، فشار انتخابی^۸ به نفع مقاومت‌های

دارویی افزایش می‌یابد و این به معنی کمک به باکتری برای غلبه بر آنتی بیوتیک است (۵، ۳). در مقاومت دارویی، چندین مکانیسم وجود دارد که شامل افزایش جریان خروج دارو، کاهش جذب، بیان ژن‌های مقاومت کدگذاری شده برای سوبستراهای تغییر یافته متصل به آنتی بیوتیک‌ها، بیان ژن‌های مقاومت دارویی کدکننده آنزیم‌های ایجادکننده تغییرات کوالانسی ساختمان مولکولی داروها، به دست آوردن مقاومت آنتی بیوتیکی از طریق ایجاد یک مولکول مهارکننده رقابتی و یا کسب ژن‌های مقاوم از طریق جهش‌های خودبه‌خودی می‌شوند و بسیاری از باکتری‌ها از این طریق در برابر آنتی بیوتیک‌ها مقاومت می‌کنند (۶، ۹).

انتقال ژن‌های مقاوم در باکتری‌ها در سه مرحله انجام می‌شود: مرحله اول، مقاومت باکتری به داروها است که توسط یکی از سه روش کانتجوگاسیون^۹، ترانسفورماسیون^{۱۱}

و یا ترانس‌داکشن^{۱۱} انجام می‌شود در مرحله دوم ژن‌های مقاومته بیان شده و در مرحله سوم باکتری‌های بیان‌کننده ژن‌های مقاوم در برابر داروها، انتخاب می‌شوند و از این طریق خود و نسل بعد خود را نسبت به نوعی



● انقلاب نانوانتی بیوتیک‌ها

عفونت باکتری‌های بیماری‌زا به علت نرخ بالای عوارض، مرگومیر و همچنین افزایش هزینه‌ها برای مدیریت بیماری، یک مشکل عمده بهداشت عمومی است. اگرچه چندین گزینه برای درمان ضد میکروبی وجود دارد اما به علت وجود باکتری‌های مقاوم به دارو، کارایی آن‌ها محدود بوده و بسیاری از آنتی بیوتیک‌های معمولی نتوانسته‌اند بهبود درخور توجهی در بقای کلی بیماران عفونی نشان دهند. نانوداروهای آنتی بیوتیکی فرصتی برای بهبود کارایی ضدباکتری‌ها فراهم می‌کنند. نانوسیستم‌هایی که برای تحویل دادن آنتی بیوتیک و هدف قرار دادن محل‌های عفونت استفاده می‌شوند، باید این مزایا را داشته باشند: افزایش حلالیت، افزایش پایداری، بهبود نفوذپذیری و فراهمی زیستی اپی تلیوم^{۱۳}، نیمه عمر طولانی مدت آنتی بیوتیک، هدف‌گیری بافت و حداقل عوارض جانبی نسبت به فرمول‌های معمولی. نانوحامل‌ها ویژگی‌های فیزیکی شیمیایی کنترل‌پذیری

دارند که هدف‌گیری فعال و غیرفعال باکتری‌ها را امکان‌پذیر می‌کند. هدف‌گیری غیرفعال با تعدیل ساختار نانوذرات و ویژگی‌های فیزیکی شیمیایی آن‌ها، گزینه‌ای مناسب برای دارورسانی کارآمد به باکتری است. علاوه بر این، هدف‌گیری فعال، مانند هایپرترمی^{۱۴} نیز راه کارآمد دیگری برای رساندن داروها به محل مدنظر است. به همین منظور در اواخر دهه ۱۹۷۰، ایده سیستم‌های پاسخ‌دهنده به محرک‌ها با استفاده از لیپوزوم‌های حساس به حرارت برای آزادسازی موضعی داروها از طریق هایپرترمی معرفی شد و پس از آن حجم وسیعی از تحقیقات درباره طراحی و کاربردهای مواد پاسخ‌دهنده به محرک‌ها انجام شد و ثمره این تحقیقات، نانوانتی بیوتیک‌های جدید را به وجود آورد. در حقیقت سیستم‌های پاسخ‌دهنده به محرک‌ها در مقیاس نانو می‌توانند به محرک‌های داخل سلولی خاص، مانند pH، غلظت‌های مختلف آنزیم‌های خاص یا ترکیبات شیمیایی مانند گلوکوتایون^{۱۵} و

۱۱ Transduction

۱۳ Bioavailability of epithelium

۱۴ Hyperthermia

۱۵ Glutathione

۱ AMR: Antimicrobial Resistance

۲ Penicillin

۳ Methicillin

۴ Vancomycin

۵ Macrolides

۶ Sulfonamide

۷ Drug Delivery System

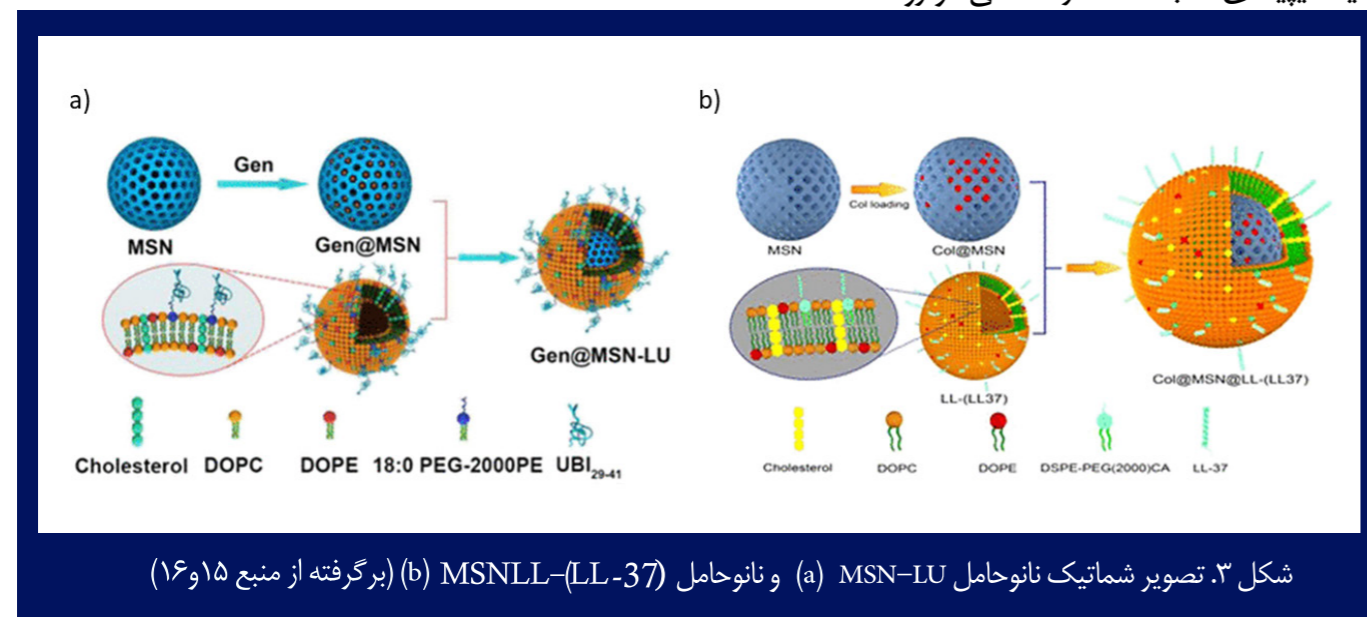
۸ Selective Pressure

۹ Conjugation

۱۰ Transformation

۳. نانوحامل (LL-37)-MSN با اثر بر باکتری P. aeruginosa مقاوم به Colistin
 (LL-37)-MSN: MSNLL-41 نوع MCM که با یک لایه لیپیدی پوشش داده شده و با یک پپتید ضد میکروب به نام LL-37 کونژوگه شده‌اند (۱۳-۱۸).

به نام MCM-41 که با نوعی از مولکول‌های شاخه‌دار عملکردی شده‌اند.
 ۲. نانوحامل MSN-LU با اثر بر باکتری S. aureus مقاوم به Gentamicin
 MSN: MSN-LU های اصلاح شده به همراه پوشش دو لایه لیپیدی که با ساختار خاصی کونژوگه شده‌اند.



شکل ۳. تصویر شماتیک نانوحامل MSN-LU (a) و نانوحامل MSNLL-(LL-37) (b) (برگرفته از منبع ۱۵ و ۱۶)

● آنتی‌بیوتیک یا نانوانتی‌بیوتیک؟

برای درمان عفونت‌ها با استفاده از نانوفناوری، گاهی از نانوساختارهایی با خاصیت آنتی‌بیوتیکی (نانودارو) گاهی از نانوحامل‌های دارویی و بسته به شرایط گاهی نیز از هر دو استفاده می‌شود. با این حال اگرچه استفاده از نانوذرات در زمینه‌های دارویی توجه زیادی را به خود جلب کرده است، به‌ویژه در سیستم‌های دارورسانی، اما همچنان عبور این ذرات از سد‌های سلولی و اثرات سمی آن‌ها کمی نگران‌کننده است (۱۹-۲۳).

سمی بودن نانوانتی‌بیوتیک‌ها، از چالش‌های استفاده از نانوتکنولوژی در حیطه سلامت انسان‌ها است که در مطالعات زیادی سمیت چندگانه نانوذرات به اثبات رسیده است. نانوذرات ممکن است بتوانند به سیستم گردش خون، ریه، کبد، قلب، طحال و مغز وارد شوند و در روده بزرگ ریه، مغز استخوان، کبد، طحال و غدد لنفاوی انباشته شوند. این ریزساختارها به علت اندازه بسیار کوچک

تجویز عوامل ضد میکروبی مبتنی بر نانوذرات می‌تواند سطح شاخص‌های درمان را در کنار چند استراتژی برتر بهبود ببخشد که شامل گردش خونی طولانی‌تر دارو، آزادی در زمینه کنترل دارویی و نهایتاً افزایش فارماکوکینتیک عمومی است.

سیستم‌های تحویل داروهای ضد میکروبی مبتنی بر نانوذرات می‌توانند باعث حلالیت و تعلیق داروها بشوند و همچنین در تحویل همزمان داروهای متعدد برای درمان ضد میکروبی هم‌افزایی^{۲۱} نقش داشته باشند. آن‌ها پیشرفت‌ها و مزایای درخور توجهی را در رفع موانع کلیدی در مسیر درمان بیماری‌های عفونی نشان می‌دهند که شامل تعاملات با سلول‌ها و بافت‌ها و اندام‌هایی است که در نتیجه برای به دست آوردن اثرات درمانی مدنظر، مسیرهای مدیریتی مناسب را شناسایی می‌کنند

مهار رونویسی و عملکرد اسیدنوکلئیک است. علاوه بر این، سایر آنتی‌بیوتیک‌های معمولی می‌توانند مانع سنتز پروتئین شوند، تمام سنتز یا عملکرد سلول را مختل کنند، باعث از بین رفتن نفوذپذیری انتخابی غشاء شوند و یا در سنتز اجزای بیولوژیکی کلیدی مانند اسیدفولیک اختلال ایجاد کنند (۱۳).

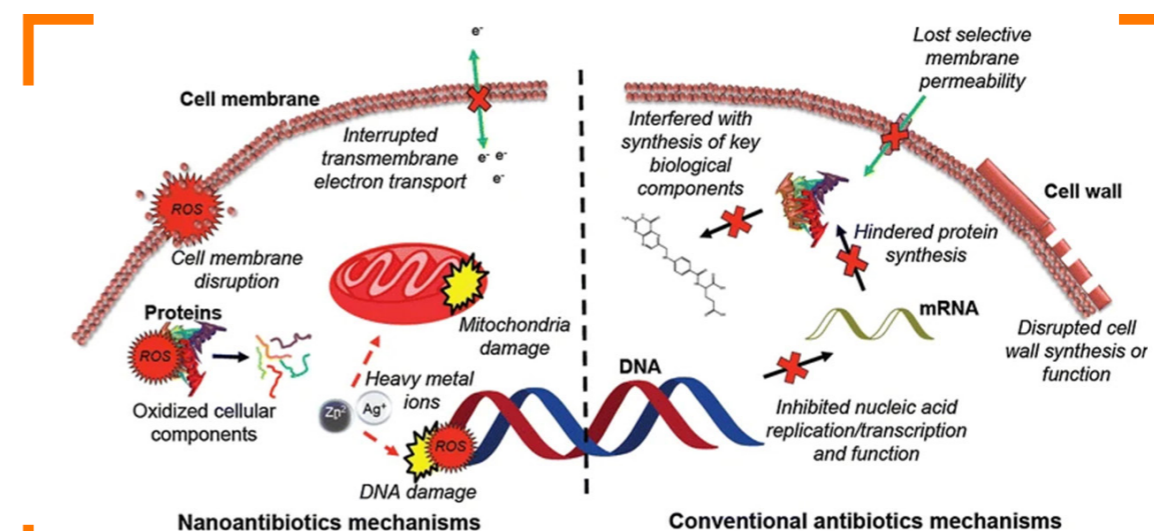
بسیاری از مطالعات اثربخشی بیشتر خواص ضد میکروبی آنتی‌بیوتیک‌های ترکیبی با نانوذرات را نسبت به تأثیر آنتی‌بیوتیک‌های معمولی نشان داده‌اند. توانایی نانوانتی‌بیوتیک‌ها در کنترل عفونت‌ها در شرایط *in vivo* و *in vitro* اثبات شده است؛ مثلاً نانوذرات آزادکننده اکسیدنیتریک می‌توانند منجر به ممانعت از تشکیل بیوفیلم‌های باکتریایی بشوند و در ریشه‌کن ساختن بیوفیلم‌هایی که قبلاً تشکیل شده‌اند نیز نقش دارند. از مثال‌های نانوحامل‌های آنتی‌بیوتیکی ساخته شده از نانوذرات زینک اکساید و مزوسپور سیلیکات (MSNs) می‌توان به نمونه‌های زیر اشاره کرد.

۱. نانوحامل MCM-41G3-MSNs با اثر بر باکتری E. coli مقاوم به Levofloxacin
 MCM-41G3-MSNs: گروهی از ترکیبات سیلیکاتی

یا در سطح بافتی، به تغییرات جزئی محیطی خاص که با شرایط پاتولوژیک مانند بیماری التهابی، ایسکمی^{۱۶} و البته عفونت مرتبط است، نیز حساس باشند علاوه بر این، با امکان رهایش پایدار دارو و بهبود در خواص نانومواد، می‌توان درمانی با استفاده از محرک‌های فیزیکی خارج از بدن، مانند مغناطیس، حرارت، نور و فراصوت را به دست آورد. در این راستا، سیستم‌های دارورسانی پاسخ‌دهنده به محرک‌ها می‌توانند مزایای زیادی از جمله افزایش خواص هدف‌گیری، کارایی درمان‌های آنتی‌بیوتیکی و در عین حال، به حداقل رساندن جنبه‌های آن‌ها به همراه داشته باشند. این اثرات ظهور و انتشار پاتوژن‌های مقاوم به دارو، نیاز به کاهش دز و افزایش کارایی درمان را به دنبال دارد (۱۲، ۳۷).

● برتری نانوانتی‌بیوتیک‌ها نسبت به آنتی‌بیوتیک‌های معمولی

مکانیسم‌های نانوانتی‌بیوتیک‌ها معمولاً شامل اختلال در غشای سلولی و اکسیداسیون اجزای سلولی هستند که وقفه در انتقال الکترون، آسیب میتوکندری و DNA ناشی از یون‌های فلزات سنگین و گونه‌های فعال اکسیژن (ROS) را به دنبال خواهند داشت. مکانیسم آنتی‌بیوتیک‌های مرسوم همانند کینولون‌ها^{۱۷}، فلوروکینولون‌ها^{۱۸} و ریفامایسین‌ها^{۱۹}



شکل ۲. تصویری شماتیک از مکانیسم نانوانتی‌بیوتیک‌ها در مقایسه با آنتی‌بیوتیک‌های معمولی (۱۳)

- ۱۶ Ischemia
- ۱۷ Quinolones
- ۱۸ Fluoroquinolones
- ۱۹ Rifamycin

۲۰ Pharmacokinetics
 ۲۱ Synergistic

آیا سرطان به پایان راه رسیده است؟

بنیامین بابایی دانشجوی ارشد بیوتکنولوژی پزشکی دانشگاه علوم پزشکی خراسان شمالی

نخستین بار حدود ۱۵۰۰ سال قبل از میلاد مسیح بود که پزشکان در مصر باستان گزارش دادند، در بدن ۸ نفر چیزی شبیه یک غده یافت شده و شاید این شروع داستانی به نام سرطان بود (۱).

در تعریفی ساده، سرطان را می‌توان تکثیر بیش از حد و خارج از کنترل سلول‌ها بیان کرد، تکثیری که می‌تواند به علت بی‌توجهی سلول به صدور سیگنال‌های توقف رشد یا مرگ سلولی و یا پاسخ بیش از حد آن به سیگنال‌های محرک رشد باشد (۲).

در این میان برخی از عوامل مداخله‌گر نظیر ویروس‌ها، اشعه‌ها و غیره نیز می‌توانند فرآیند تولید سلول یا توده غیرنرمال را تسریع کنند به‌طور کلی سلول‌های B و T نمایندگان اصلی سیستم ایمنی در پاسخ به عوامل خارجی و غیرعادی هستند تفاوت اصلی این دو سلول در مواجهه مستقیم و غیرمستقیم آن‌ها با عوامل بیگانه است، به‌طوری که سلول B پس از شناسایی عامل بیگانه با ترشح پادتن به مبارزه با آن می‌پردازد در حالی که سلول‌های T مستقیم وارد عمل می‌شوند و با اتصال به سلول غیرطبیعی یا میکروب بیماری‌زا، فرآیند تخریب آن را آغاز می‌کنند (۳).

• CAR T-Cell Therapy

در این بین نقش اصلی تخریب سلول سرطانی بر عهده سلول‌های T است. شناسایی سلول بیگانه به واسطه اتصال گیرنده روی سطح سلول ایمنی با آنتی‌ژن سطحی سلول بیگانه که اصطلاحاً ایمونوژن^۱ خوانده می‌شود صورت می‌پذیرد (۴).

به راحتی می‌توانند فرآیند جذب سلولی و ترانس‌سیتوزی^{۲۲} (انتقال وزیکولی ماکرومولکول‌ها از یک طرف سلول به سمت دیگر) میان سلول‌های اپیتلیال و اندوتلیال را تسهیل کرده و به بدن انسان آسیب بزنند (۲، ۲۴-۲۸).

خوشبختانه امروزه تحقیقات بسیاری برای طراحی و تهیه نانوانتی‌بیوتیک‌هایی با سمیت پایین و کارایی زیاد در سراسر دنیا در حال انجام است تا بتوان از مزایای بسیار زیاد نانوذرات، در راستای غلبه بر مقاومت‌های آنتی‌بیوتیکی استفاده کرد. با توجه به میزان بالای مقاومت‌های ضد میکروبی فعلی ضرورت تحقیق و توسعه استراتژی‌های جدید بیش از پیش احساس می‌شود و به نظر می‌رسد اگر چه تحقیقات در این زمینه در حال افزایش است، اما هنوز روند اجرایی این تحقیقات کند بوده و سرعت بخشیدن به این تحقیقات، نیازمند ایجاد یک دستورالعمل جهانی برای تضمین امنیت استفاده از نانومواد در ترکیبات دارویی است (۱۷، ۲۵).

منابع



سرطان بر پایه سلول را مطرح کرد و در ۳۰ آگوست همان سال KYMIRAH اولین تأییدیه را برای درمان لوسمی حاد سلول B دریافت کرد. این دارو یکبار تزریق می‌شود و در آن بر اساس وزن بیمار تعیین می‌گردد. پس از آن ۴ داروی YESCARTA، TECARTUS، BREYANZI و

ABECMA نیز تأییدیه FDA را دریافت کردند (۱۸). در این میان نکته مهم محتویات درون بسته این داروهاست؛ از آنجایی که فرآیند CAR T-Cell Therapy در حوزه پزشکی شخص محور مطرح است، این سوال پیش می‌آید که پس چه چیزی در بستهبندی این داروها وجود دارد؟ این بسته‌ها فقط شامل وکتورهای هستند که آماده‌اند تا پس از ورود سلول‌های T، عملیات تغییر ژنتیکی و بیان CAR را در سطحشان القاء کنند (۱۹). این پروسه درمانی از شروع تا پایان، چیزی حدود ۳ هفته زمان می‌برد (۲۰).



شکل ۳. تصویر برخی از داروهای لازم برای CAR T-Cell Therapy

در حال حاضر تعداد کارآزمایی‌های بالینی صورت گرفته در این حوزه هر روز در حال افزایش است و طبق آمارها، گذشته از سایر کشورهای فعال در این زمینه، حدود ۵۰۰ کارآزمایی فقط در چین و آمریکا در حال انجام است (۲۱). در کشورما نیز مرکز تحقیقات سرطان دانشگاه تهران با هدایت دکتر ناصر احمد بیگی در حال انجام یک کارآزمایی بالینی در این زمینه است (۲۲).

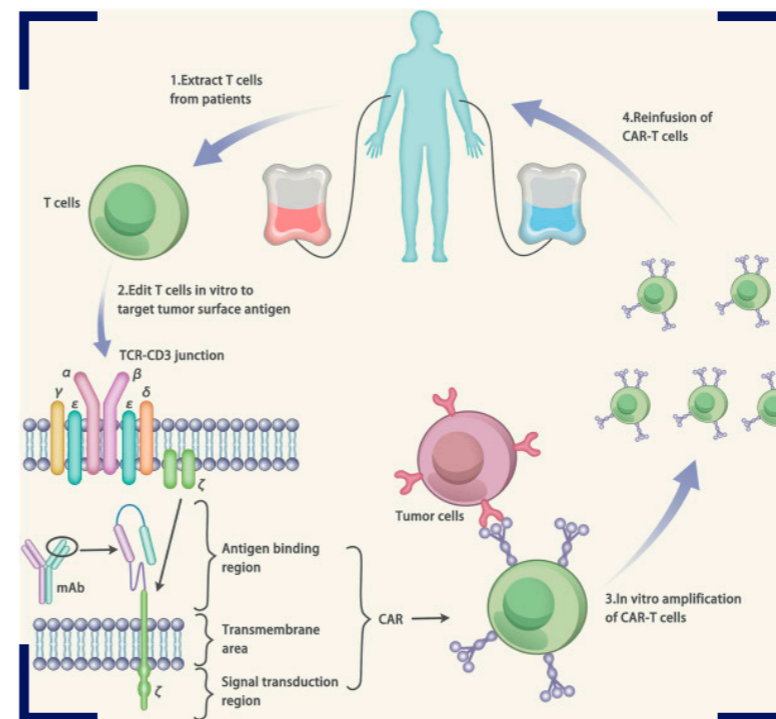
برای اطمینان از اثربخشی سلول‌های T مهندسی شده، همزمان با نمونه‌برداری از خون، از بافت سرطانی نیز نمونه تهیه می‌شود و دمین خارج سلولی گیرنده CAR در واقع شناسایی کننده همان آنتی‌ژن‌هایی است که توسط سلول سرطانی بیان می‌شوند (۱۱).

تا به امروز مطالعات نشان داده که این روش در درمان سرطان‌های خونی نسبت به تومورهای جامد کارآمدی بیشتری داشته است که علت این مسئله نیز تحت تأثیر مشکلاتی است که با تومورهای جامد داریم و از این میان می‌توان به چند نمونه اشاره کرد. گاهی اوقات سلول سرطانی با تغییر شکل یا کم کردن بیان پروتئین‌های سطحی خود، فرآیند تشخیص آنتی‌ژن را توسط سلول T مختل می‌کند (۱۲). تومورهای جامد این توانایی را دارند که پاسخ ایمنی را سرکوب کنند و سبب شوند سلول T قبل از اثر غیرفعال شود (۱۳). ماتریکس خارج سلولی اطراف تومور یک محدودیت را برای رسیدن سلول T به سلول‌های توموری باعث می‌شود. در نهایت توده مدنظر می‌تواند به رشد خود ادامه دهد (۱۴). با این همه در حال حاضر استفاده از این روش در مطالعات بالینی روی تومورهای جامد با هدف قراردادن بیش از ۳۰ آنتی‌ژن مختلف (HER2، CD20 و...) در حال انجام است (۱۵).

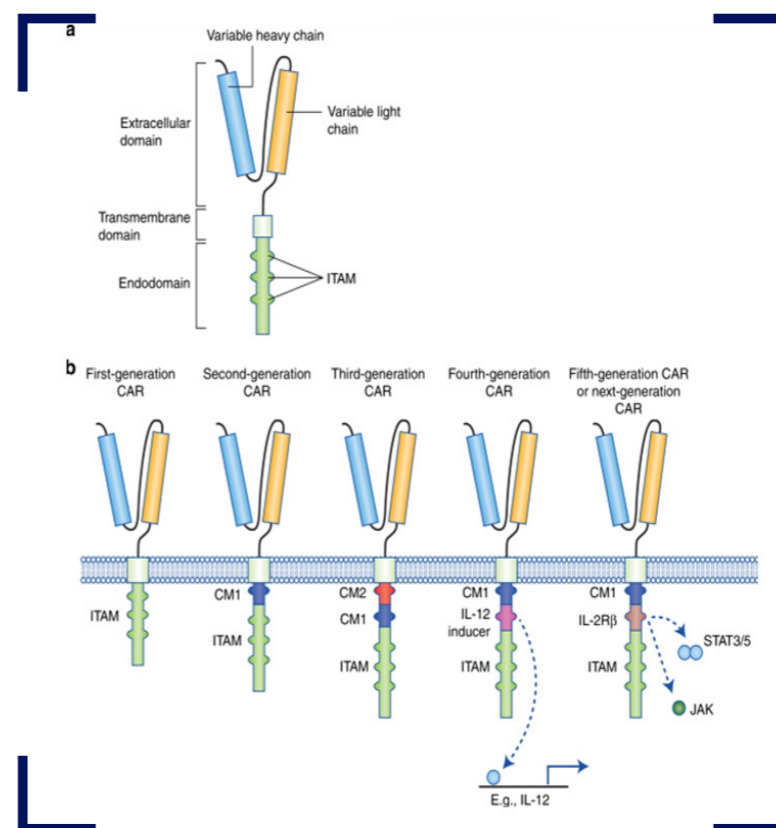
داروهای دارای تاییدیه سازمان غذا و داروی آمریکا (FDA)

از جمله نکات تأمل‌پذیر درباره این روش، نام‌گذاری آن است. آنچه در این فرآیند اتفاق می‌افتد یک Cell therapy ex-vivo gene therapy است. حال آنکه Cell therapy عنوان می‌شود. سازمان غذا و داروی ایالات متحده با برگزیدن دو عنوان مناسب تناقض پیش آمده را توجیه می‌کند. در گام اول، FDA این روش درمانی را Cell-based gene therapy نامید و در مرحله بعد با توجه به تولید و عرضه داروهای ارائه‌شده آن را Living Drug معرفی کرد (۱۶، ۱۷).

اولین بار در ۱۲ جولای ۲۰۱۷ کمیته مشورتی داروهای سرطانی در FDA پیشنهاد تأیید اولین روش درمان اختصاصی



شکل ۱. نمای کلی از فرآیند CAR T-Cell Therapy از نمونه‌گیری اولیه تا تزریق نهایی (۷)



شکل ۲. نسل‌های مختلف CART-Cell (۹)

۲ Chimeric Antigen Receptor
۳ Cytotoxicity

گیرنده آنتی‌ژن کایمیریک^۲ (CAR) از سه بخش خارج سلولی، درون غشایی و درون سلولی تشکیل می‌شود. بخش خارج سلولی شامل سیگنال پپتید و دمین گیرنده آنتی‌ژن (single-chain fragment variable) است که از آنتی‌بادی مونوکلونال منشأ گرفته و مسئول تشخیص یک بخش خاص روی سطح سلول سرطانی (برای مثال تشخیص CD19 روی سطح لنفوسیت B) است (۸).

دمین‌های بخش درون سلولی بسته به اینکه این گیرنده به نسل چندم تعلق داشته باشد متفاوتند و نقش تقویت آبشارهای پیام‌رسانی درون سلولی را برای فعال‌سازی و بهبود عملکرد سلول T به عهده دارند. نسل اول این گیرنده‌ها در قسمت داخل سلولی حاوی دمین CD3-ζ بودند که از گیرنده سلول T (TCR) نشئت گرفته بودند و با وجود فعال کردن ویژگی سایتوتوکسیسیته^۳ سلول T این توان را نداشتند که بعد از تزریق به بیمار تکثیر سلول T را سبب شوند. در مقابل CARهای نسل دو و سه به خاطر داشتن دمین‌های کمکی نظیر CD28 و CD137 (4-1BB) می‌توانستند باعث تکثیر و پایداری سلول T در محیط in vivo شوند. در حال حاضر تا نسل پنجم این گیرنده‌ها تولید شده‌اند که نسل‌های چهارم و پنجم از ارتقای ساختار نسل دوم حاصل شده‌اند (۹، ۱۰).

The Use Of Genome Editing Tools In the treatment of Cardiovascular Diseases

Maryam Deldar Bayat

Biotechnology undergraduate student, Alzahra University

Recent advancements in the development of genome editing tools have created the possibility of targeting and modifying sequences in the genome very precisely in almost all eukaryotic cells. Genome editing has expanded our ability to elucidate the contribution of genetics to disease by promoting the creation of more accurate cellular and animal models of pathological processes and has begun to show extraordinary potential in a variety of fields, ranging from basic research to applied biotechnology and biomedical research (1).

In recent years, the clustered regularly interspaced short palindromic repeats (CRISPR) and CRISPR-associated protein 9 (Cas9) genome editing system has emerged as a versatile tool to perform precise gene targeting and mutations including gene insertions/deletions, gene replacements, and single base pair conversions (2).

CRISPR technology was adapted from the natural defense mechanisms of bacteria and archaea, a domain of relatively simple single-celled microorganisms. These life forms utilize CRISPR-derived RNA and different Cas proteins to foil attacks by viruses. To thwart assaults by viruses, the

organisms chop up the DNA of infectors and then place bits of that DNA in their bacterial genome which has the potential to be used as a defense tool against the foreign invaders, in case those viruses attack the bacteria once more (3).

Cardiovascular diseases (CVDs) research is experiencing a major change with the application of CRISPR/Cas9 and other genome editing frameworks. Cas9 is an RNA-guided endonuclease that makes double-stranded breaks in DNA based on the modification directed by the client. In expansion with the protein being melded approach of Cas9 with other protein moieties, clients are permitted to coordinate enzymatic exercises to particular parts of the DNA. These incorporate fluorescent proteins, transcriptional activators or repressors, chromatin modifiers, deaminases, and switch transcriptase (4).

CVDs are the driving cause of death worldwide. CVDs are a wide range of diseases classified into diverse categories based on different criteria. For example, inherent heart disease and obtained heart disease are categorised according to the time of onset. The etiology of CVDs is complex, including metabolic anomalies,

با وجود خطر کمتر رتروویروس‌ها نسبت به لنتی‌ویروس‌ها در برش تصادفی ژنوم، باز هم هر دو پتانسیل انکوژنیک^۴ شدن (تبدیل شدن به توده سرطانی) را دارند، بنابراین تحقیقات در زمینه ترکیب این روش درمانی با سیستم‌های با دقت عملکرد بالاتر نظیر کریسپر در حال گسترش است (۲۶).

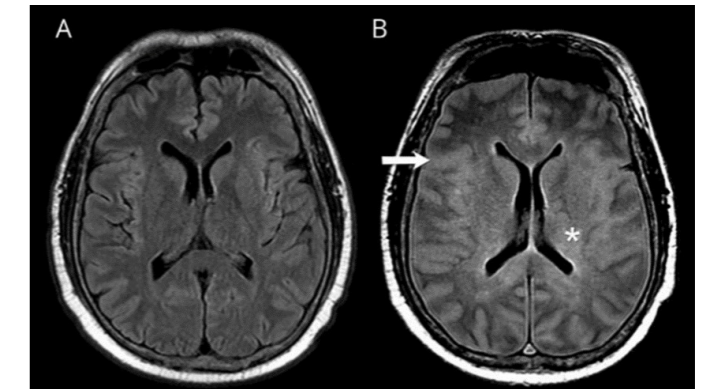
با این همه نباید نقش ویروس‌های انکولیتیک^۵ (Ovs) را در این بین نادیده گرفت. ویروس‌هایی که استفاده از آن‌ها با پیشرفت مهندسی ژنتیک و ایجاد سوبه‌های کارآمدتر گسترش چشمگیری در سال‌های اخیر داشته است. این ویروس‌ها به‌طور انتخابی سلول سرطانی را نابود می‌کنند بدون اینکه به سلول‌های طبیعی بدن آسیبی وارد کنند. سلول‌های سرطانی تخریب‌شده با این ویروس‌ها، تومور-آنتی‌ژن آزاد می‌کنند که خود این فرآیند نیز سبب تقویت پاسخ ایمنی ضدتوموری می‌شود. این ویروس‌ها در کنار تکنیک ویرایش ژنومی کریسپر توانایی ترکیب با روش CAR T-Cell Therapy را دارند (۵،۲۷).

در پایان، فارغ از تفاوت در آمارهای به دست آمده از مطالعات مربوط به این روش درمانی، یک نکته بسیار حائز اهمیت است؛ اینکه تمام این مطالعات نرخ بهبودی (CR^۶) زیادی را نشان داده‌اند تا جایی که برخی منابع این عدد را تا ۹۳ درصد گزارش کرده‌اند (۲۸).

چالش‌ها و فرصت‌ها

از نکات درخور توجه درباره این روش، گستره وسیع عوارض جانبی ناشی از بروز سندرم رهایی سایتوکاین است که می‌تواند از یک تب ۳۸ درجه و خستگی شروع شود، در برخی مواقع مشکلاتی را برای کبد و کلیه ایجاد کند و در حدود ۲ درصد از نمونه‌ها با ادم مغزی و مرگ بیمار همراه باشد (۲۳،۲۴).

سندرم رهایی سایتوکاین (Cytokine Release Syndrome) شایع‌ترین عارضه جانبی مربوط به CAR T-Cell Therapy است که برای مواجهه با آن دو راهکار پیشنهاد می‌شود: در یک روش با استفاده از پادتن‌های ضداینترلوکین ۶ التهاب را کنترل می‌کنند اما برخی از مراکز تحقیقاتی معتقدند می‌توان با یک شیمی درمانی مختصر قبل از شروع این فرآیند از این عارضه جلوگیری کرد (۲۵).



شکل ۴. تصویر a: اسکن مغز قبل از CAR T-Cell Therapy، تصویر b: اسکن مغز ادم‌کرده در اثر این روش درمانی (۲۴)

منابع



- ۴ Oncogenic
- ۵ Oncolytic Viruses
- ۶ Complete Remission

hereditary changes, abnormal protein function, and other factors. All CVDs in the long run advance to heart failure (HF) if not effectively treated. HF affects %1-2 of the world's population and places an overwhelming on society. Current medications for CVDs incorporate conventional pharmacotherapy and surgery. Even though the above methods alleviate the symptoms of the disease and reduce the mortality rate, both strategies have certain disadvantages. Traditional medication is less invasive, but it can cause harm to the liver, kidneys, and other organs, as well as other side effects. Despite the excellent effectiveness, the clinical application of cardiac surgery is always restrained by the complex

procedures and the possibility of postoperative complications. Therefore, there is an urgent and unmet need to develop a novel, convenient, and efficient approach for the treatment of CVDs (5).

Creating disease models

Since existing genome-editing apparatuses are moderately productive, strains of genetically modified animals, with the mouse model as a driving case, can be produced over a couple of weeks, whether by knockout or knock-in of particular mutations. Traditionally, genetically altered mice are produced by presenting the required genetic alterations in mouse embryonic stem cells (7).

GETx for CVD

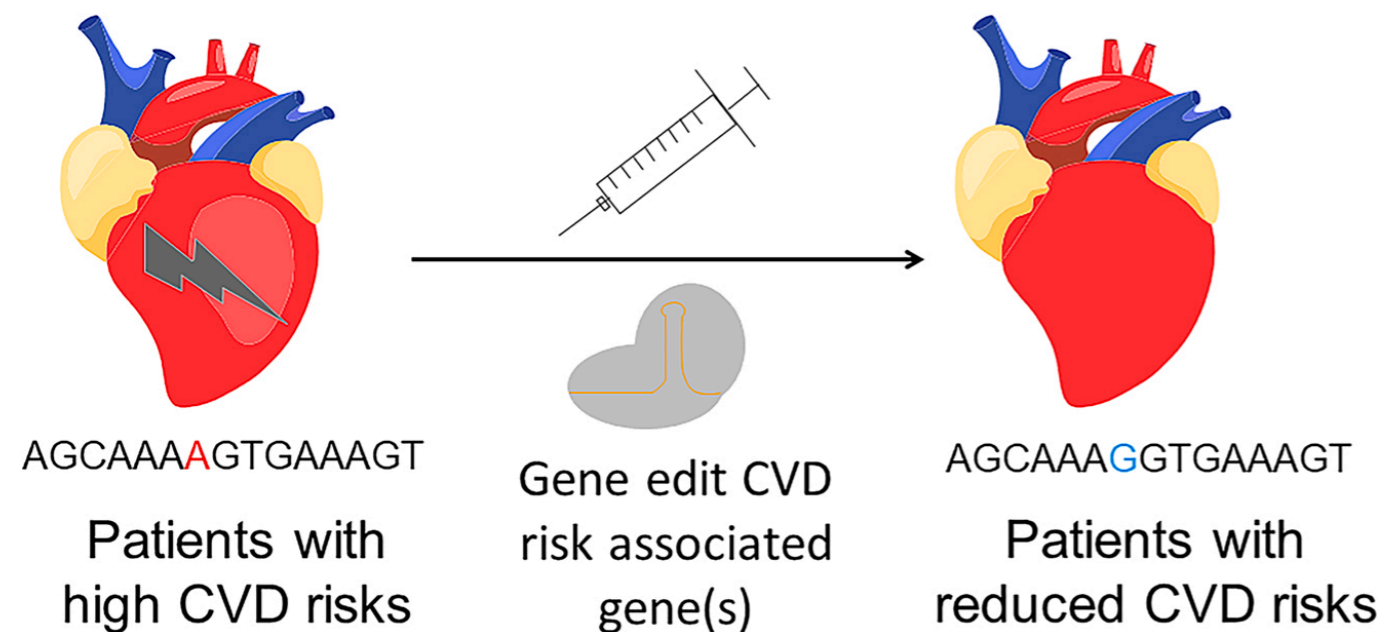


Figure1. Illustration of gene editing therapy for CVD (6)

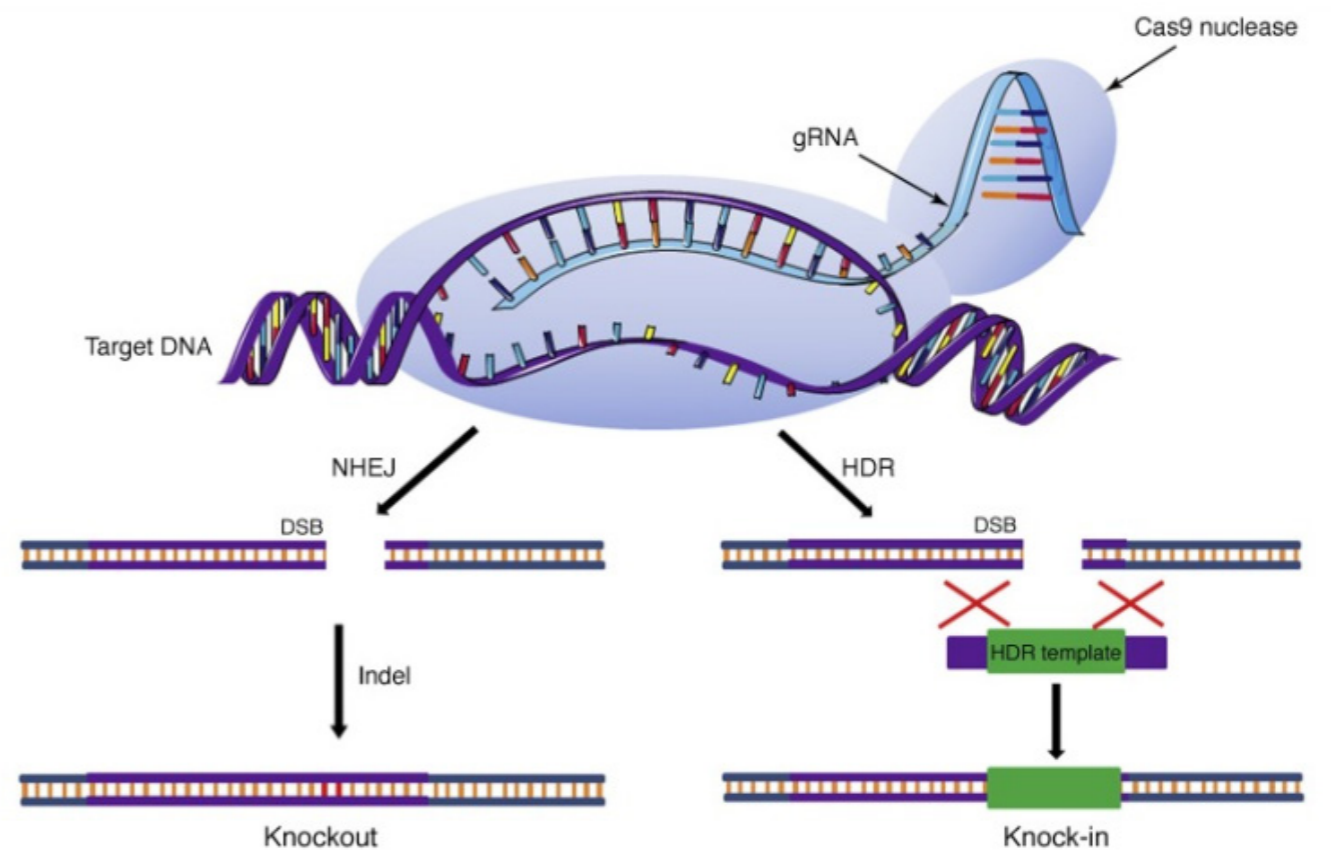


Figure2. Schematic view of genome editing mediated by CRISPR Cas9, and DNA repairing. The Cas9 protein guided by a desired single-strand guide RNA (gRNA), cuts the double-stranded DNA and makes a double-strand break (DSB). Subsequently, DNA repair occurs through either the nonhomologous end-joining (NHEJ) or the homology-directed repair (HDR) pathways (8).

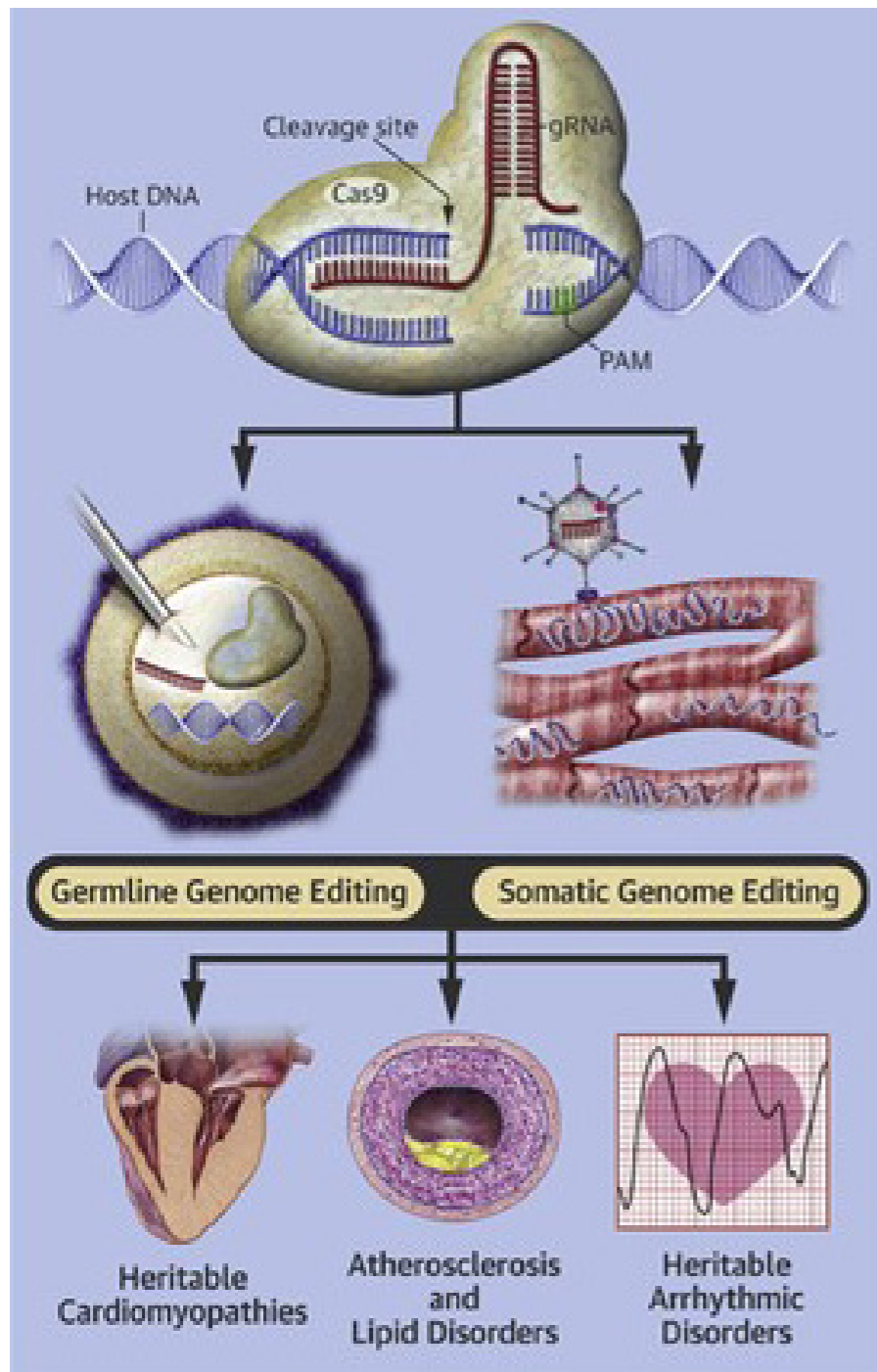
Therapeutic Genome Editing

Genome editing based treatment can be accomplished through several approaches counting adjustment or inactivation of harmful mutations, the introduction of defensive mutations, expansion of restorative transgenes, or disruption of viral DNA (9).

Evaluating therapeutic agents

Novel therapies for the treatment of cardiovascular diseases constantly

experience testing in preclinical models before the beginning of clinical trials, to foresee the therapeutic benefits or potential risks before the therapy is administered to patients. However, wild-type animal or cellular models are frequently not ideally suited to assess new therapies owing to contrasts in physiology or because they do not reflect the intended patient's disease state. Genome editing has the potential to enable the creation of more informative preclinical models (4).



Inside the field of cardiovascular diseases research, genome-editing tools are beginning to be widely applied. It isn't difficult to anticipate what is before long to come: the generation of numerous novel cellular and animal models, functional interrogation of molecular pathways involved in cardiovascular development and disease pathogenesis and attempts to prevent and treat a variety of cardiovascular disorders. In any case, much work remains in addressing the current inadequacies of genome-editing technology. The genome-editing field is in its infancy, and we will without a doubt anticipate surprising advances in the coming years.

Figure3. The different genome editing approaches (germline and somatic) and the potential cardiovascular diseases they could treat (10).



References

راههای ارتباطی:

- ✈ DNAmagazine
- 📷 Biotech.au
- ✉ DNAmagazine98@gmail.com

